



SILVANA MARÍA PEREYRA
LEPRE

Dra.



spereyra@fmed.edu.uy
<http://www.genetica.fmed.edu.uy>

Gral. Flores 2125 C.P. 1180
0 Montevideo - Uruguay
29243414 ext. 3497

Fecha de publicación: 29/09/2025
Última actualización: 29/09/2025

Datos Generales

INSTITUCIÓN PRINCIPAL

Universidad de la República/ Facultad de Medicina / Unidad Académica de Genética / Uruguay

DIRECCIÓN INSTITUCIONAL

Institución: Universidad de la República / Facultad de Medicina / Sector Educación Superior/Público / Unidad Académica de Genética

Dirección: Gral. Flores 2125 / 11800

País: Uruguay / Montevideo / Montevideo

Teléfono: (598) 29243414 / 3497

Correo electrónico/Sitio Web: spereyra@fmed.edu.uy www.genetica.fmed.edu.uy

Formación

Formación académica

CONCLUIDA

DOCTORADO

Doctorado en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (2013 - 2019)

Universidad de la República - Facultad de Ciencias , Uruguay

Título de la disertación/tesis/defensa: Análisis de la variabilidad y expresión génica en el parto prematuro espontáneo

Tutor/es: Dra. Rossana Sapiro / Cotutor: Bernardo Bertoni

Obtención del título: 2019

Palabras Clave: Parto prematuro Transcriptómica expresión génica

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

MAESTRÍA

Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (2007 - 2009)

Universidad de la República - Facultad de Ciencias , Uruguay

Título de la disertación/tesis/defensa: Diversidad y estructura genética de *Mustelus schmitti* (*Chondrichthyes*, *Triakidae*) en el Río de la Plata y su Frente Marítimo

Tutor/es: Graciela García

Obtención del título: 2009

Palabras Clave: Estructura genética poblacional ADN mitocondrial Variación genética

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

GRADO

Licenciatura en Ciencias Biológicas (2001 - 2005)

Universidad de la República - Facultad de Ciencias , Uruguay

Título de la disertación/tesis/defensa: Diferenciación genética en poblaciones del género

Gymnogeophagus (*Perciformes*, *Cichlidae*) distribuidas en Uruguay

Tutor/es: Graciela García

Obtención del título: 2006

Palabras Clave: Citocromo b Filogeografía Genética de poblaciones

Áreas de conocimiento:

Formación complementaria

CONCLUIDA

CURSOS DE CORTA DURACIÓN

Train the Trainer: Design Genomics and Bioinformatics Training (01/2024 - 02/2024)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Wellcome Trust / Wellcome Connecting Science , Reino Unido

20 horas

Palabras Clave: genética genómica educación docencia teaching genetics genomics

Áreas de conocimiento:

Humanidades / Otras Humanidades / Otras Humanidades / Docencia

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Genomics for educators (11/2023 - 12/2023)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Wellcome Trust / Wellcome Connecting Science , Reino Unido

15 horas

Palabras Clave: Genetics Genomics Educators teaching

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Docencia

Humanidades / Otras Humanidades / Otras Humanidades / Docencia

Single Cell Genomics (07/2023 - 08/2023)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Wellcome Trust , Reino Unido

80 horas

Palabras Clave: single-cell sequencing genomics transcriptomics

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Transcriptómica

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la

identificación de ADN, proteínas y enzimas /

Sensibilización en derechos humanos, género y diversidad sexual (09/2022 - 11/2022)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Medicina / Comisión de Género , Uruguay

30 horas

Palabras Clave: derechos humanos género diversidad sexual

Áreas de conocimiento:

Ciencias Sociales / Psicología / Psicología / Derechos humanos

Enseñar en línea en condiciones de emergencia (05/2020 - 06/2020)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Comisión Sectorial de Enseñanza / Programa de Entornos Virtuales de Aprendizaje , Uruguay

30 horas

Palabras Clave: Educación Entornos virtuales de aprendizaje UdelAR

Áreas de conocimiento:

Ciencias Sociales / Ciencias de la Educación / Ciencias de la Educación / Enseñanza virtual

Introducción a la Genómica Médica (03/2018 - 03/2018)

Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay

50 horas

Palabras Clave: Secuenciación masiva Genoma humano Bioinformática Exomas humanos NGS

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

PH525.4x: Introduction to Bioconductor. (01/2015 - 01/2015)

Sector Extranjero/Internacional/Enseñanza superior / Harvard University , Estados Unidos
40 horas
Palabras Clave: Bioinformática Estadística genética
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Entrenamiento de Secuenciación mediante ABI310 (01/2015 - 01/2015)

Sector Empresas/Privado / Empresa Privada / Ridaline S.A. , Uruguay
24 horas
Palabras Clave: biología molecular Secuenciación Electroforesis capilar
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas /

NGS Summer Course 2014: Analyzing Next-Generation Sequencing Data (01/2014 - 01/2014)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Michigan State University , Estados Unidos
100 horas
Palabras Clave: Next Generation Sequencing Transcriptomics Bioinformatics
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Bioinformática

Introducción al manejo del software estadístico R (01/2013 - 01/2013)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Centro Universitario Regional del Este , Uruguay
50 horas
Palabras Clave: Estadística lenguaje R programación
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Estadística

Tecnologías de secuenciado masivo y biología de pequeños ARNs (01/2011 - 01/2011)

Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay
30 horas
Palabras Clave: secuenciado masivo micro ARNs
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /
Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas /

Genomics' applications (01/2011 - 01/2011)

Sector Educación Superior/Público / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas , Uruguay
Palabras Clave: Bioinformática genómica secuenciación masiva
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Bioinformática

Wellcome Trust Open Door Workshop: Working with the Human Genome Sequence (01/2010 - 01/2010)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Medicina , Uruguay
40 horas
Palabras Clave: Genoma humano Bioinformática
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Bioinformática
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

Genética de la Conservación: la ecología molecular al servicio de la conservación de especies silvestres (01/2009 - 01/2009)

Sector Extranjero/Internacional/Enseñanza superior / Univ. Simón Bolívar , Venezuela

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Conservación de la Biodiversidad / Genética de la Conservación

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Ecología Molecular

I Escuela latinoamericana de Evolución (01/2009 - 01/2009)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay
60 horas

Palabras Clave: Evolucion

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

EMBO Practical Course: Advanced Course on Bioinformatics and Comparative Genome Analysis (01/2008 - 01/2008)

Sector Extranjero/Internacional/Enseñanza superior / Universidade Federal de Santa Catarina , Brasil
132 horas

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genómica

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Bioinformática

Un método eficiente para caracterizar el genoma: PCR en tiempo real (PEDECIBA) (01/2008 - 01/2008)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay
25 horas

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Técnicas moleculares

Spatial Genetics, distribution patterns of genetic variation (01/2007 - 01/2007)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universidad Nacional del Comahue , Argentina

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Diversidad Genética

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

Data Mining en Bioinformática: generalidades y aplicaciones en Química Computacional, Biología Molecular y Medicina Molecular (01/2007 - 01/2007)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay
32 horas

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Bioinformática

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Minería de datos

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Genética de elasmobrânquios (01/2006 - 01/2006)

Sector Extranjero/Internacional/Enseñanza superior / Universidade do Vale do Itajaí , Brasil
8 horas

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Conservación de la Biodiversidad /

Melhoramento genético em peixes (01/2006 - 01/2006)

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universidade Federal de São Carlos , Brasil
10 horas

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Acuicultura

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Genética de poblaciones aplicada a pesquerías y en acuicultura (PEDECIBA) (01/2006 - 01/2006)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay

Obtención y Análisis de Datos (PEDECIBA) (01/2006 - 01/2006)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Estadística

Principios de la Dinámica de Poblaciones (PEDECIBA) (01/2005 - 01/2005)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Dinámica de poblaciones

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Biología de Poblaciones

Genómica y Introducción a las herramientas de bioinformática (PEDECIBA) (01/2005 - 01/2005)

Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución Molecular

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Bioinformática

PARTICIPACIÓN EN EVENTOS

1er Simposio de Biología Computacional y Bioinformática del Uruguay. (2023)

Tipo: Simposio

Institución organizadora: RSG Uruguay, Uruguay

Alcance geográfico: Nacional

Palabras Clave: bioinformática genética

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

III Congreso Nacional de Biociencias (2022)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: Sociedad Uruguaya de Biociencias, Uruguay

Palabras Clave: Biología Genética humana Biociencias

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ciencias Biológicas /

Biological Data Science (2022)

Tipo: Encuentro

Institución organizadora: Cold Spring Harbor Laboratory, Estados Unidos

Palabras Clave: Data science Genomics Epigenomics

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

American Society of Human Genetics Meeting (2021)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: American Society of Human Genetics, Estados Unidos

Palabras Clave: genética humana genética

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas /

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

XVIII Congreso Latinoamericano de Genética / VIII Congreso de la Sociedad Uruguaya de Genética (2021)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: Asociación Latinoamericana de Genética, Chile

Palabras Clave: genética genética humana

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas /

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

London Calling 2021 (2021)

Tipo: Encuentro

Institución organizadora: Oxford Nanopore, Reino Unido

Palabras Clave: oxford nanopore sequencing long read sequencing genetics bioinformatics

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Nanopore Community Meeting 2020 (2020)

Tipo: Encuentro

Institución organizadora: Oxford Nanopore, Reino Unido

Palabras Clave: nanopore sequencing bioinformatics genetics long read sequencing

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas /

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

London Calling 2020 (2020)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: Oxford Nanopore, Reino Unido

Palabras Clave: nanopore sequencing long read sequencing genetics bioinformatics

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas /

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Primeras Jornadas de Genética del Uruguay (2008)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: Sociedad Uruguaya de Genética, Uruguay

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

First Porto Alegre Biological Evolution Workshop (2007)

Tipo: Taller

Institución organizadora: Departamento de Genética de la UFRGS, Brasil

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Filogenia

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución Molecular

I International Congress of Fish Genetics (2006)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: Universidade Federal de Sao Carlos, Brasil

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Ictiología

V Reuniao da sociedade brasileira para o estudo de elasmobranchios (2006)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: Universidade do vale do Itajaí, Brasil

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Zoología, Ornitología, Entomología, Etología / Elasmobranchios

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Conservación de la Biodiversidad /

Jornadas SUB-11 (2005)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: Sociedad Uruguaya de Biociencias, Uruguay

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

VIII Jornadas de Zoología del Uruguay (2005)

Tipo: Congreso

Institución organizadora: Sociedad Zoológica del Uruguay, Uruguay

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Zoología, Ornitología, Entomología, Etología /

V Simposio de recursos genéticos para América Latina y el Caribe (2005)

Tipo: Simposio

Institución organizadora: INIA - Facultad de Agronomía, Uruguay

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Conservación de la Biodiversidad /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Avances científico-técnicos para el manejo del área protegida Laguna Rocha (2004)

Tipo: Taller

Institución organizadora: Facultad de Ciencias - UdelaR, Uruguay

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Conservación de la Biodiversidad /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Lagunas costeras

OTRAS INSTANCIAS

Motivación y aburrimiento en ciencias: intervenciones útiles para la práctica docente. Conferencia de Dr. Javier Sánchez Rosas del Laboratorio de Evaluación Psicológica y Educativa de la Universidad de Córdoba (2019)

Uruguay

Palabras Clave: docencia didáctica formación docente

Áreas de conocimiento:

Ciencias Sociales / Ciencias de la Educación / Ciencias de la Educación /

Idiomas

Español

Entiende muy bien / Habla muy bien / Lee muy bien / Escribe muy bien

Inglés

Entiende muy bien / Habla muy bien / Lee muy bien / Escribe muy bien

Áreas de actuación

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias Biológicas/Biología y Biología de la Evolución

CIENCIAS MÉDICAS Y DE LA SALUD

Medicina Básica/Genética Humana

CIENCIAS MÉDICAS Y DE LA SALUD

Biotecnología de la Salud /Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas

CIENCIAS MÉDICAS Y DE LA SALUD

Medicina Básica /Genética Humana /Epidemiología genética

CIENCIAS MÉDICAS Y DE LA SALUD

Biotecnología de la Salud /Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas
/Diagnóstico molecular

Actuación profesional

SECTOR ORGANIZACIONES PRIVADAS SIN FINES DE LUCRO/SOCIEDADES CIENTÍFICO-TECNOLÓGICAS - SOCIEDADES CIENTÍFICO-TECNOLÓGICAS - URUGUAY

Sociedad Uruguaya de Genética

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Colaborador (05/2024 - a la fecha)

Integrante Subcomisión de Asuntos Curriculares de PEDECIBA Biología, por subárea Genética. 2 horas semanales

Colaborador (10/2019 - 02/2024)

Integrante de la Comisión Directiva (Suplente) 4 horas semanales
Integrante de la Comisión Directiva

ACTIVIDADES

OTRA ACTIVIDAD TÉCNICO-CIENTÍFICA RELEVANTE

Integrante de Comité Receptor y Mediador y de Comité Ejecutivo para la aplicación del Código de Conducta de la SUB durante el III Congreso Nacional de Biociencias. (09/2022 - 12/2022)

Comité para aplicación del Código de conducta durante el III Congreso Nacional de Biociencias 2 horas semanales

Áreas de conocimiento:

Ciencias Sociales / Otras Ciencias Sociales / Otras Ciencias Sociales / Códigos de conducta

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - PROGRAMA DE DESARROLLO DE LAS CIENCIAS BÁSICAS - URUGUAY

Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Otro (07/2021 - a la fecha) Trabajo relevante

Investigador Grado 3 5 horas semanales

ACTIVIDADES

DOCENCIA

Biología Subarea Genética (07/2021 - a la fecha)

Maestría

Invitado

Asignaturas:

Epigenética: Regulación de la Expresión génica y Ambiente, 25 horas, Teórico

Taller de Bioinformática, 10 horas, Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la

identificación de ADN, proteínas y enzimas /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Maestría Bioinformática (07/2021 - a la fecha)

Maestría

Invitado

Asignaturas:

Taller de Bioinformática, 10 horas, Teórico-Práctico

GESTIÓN ACADÉMICA

**Integrante Subcomisión de Asuntos Curriculares de PEDECIBA Biología, por subárea Genética.
(05/2024 - a la fecha)**

PEDECIBA Biología, Genética

Participación en consejos y comisiones 2 horas semanales

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ciencias Biológicas /

Integrante del Consejo Científico del Área, PEDECIBA-Biología, como delegada estudiantil (02/2009 - 12/2009)

Participación en consejos y comisiones 3 horas semanales

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ciencias Biológicas /

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - UNIVERSIDAD DE LA REPÚBLICA - URUGUAY

Facultad de Medicina / Unidad Académica de Genética

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (11/2016 - a la fecha) Trabajo relevante

Asistente 40 horas semanales / Dedicación total

Cargo designado por concurso de oposición y méritos. Ingreso al regimen de dedicacion total el 11/11/2016

Escalafón: Docente

Grado: Grado 2

Cargo: Efectivo

Funcionario/Empleado (10/2012 - 11/2016)

Asistente del Dpto. de Genetica 20 horas semanales

Cargo designado por concurso de oposición y méritos. Ingreso al regimen de Dedicación Total el 11/11/2016

Escalafón: Docente

Grado: Grado 2

Cargo: Efectivo

Funcionario/Empleado (01/2010 - 03/2011)

Ayudante G2 13 horas semanales

Extensión horaria en apoyo al Proyecto CSIC I+D: Papel del Toll Receptor 4 en el Síndrome de Ovario Pol

Escalafón: Docente

Grado: Grado 2

Cargo: Interino

Funcionario/Empleado (09/2009 - 03/2011)

Ayudante G2 20 horas semanales

En apoyo al Proyecto CSIC I+D: Desarrollo de técnicas para la determinación del riesgo genético en el par

Escalafón: Docente

Grado: Grado 2

Cargo: Interino

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Producción de especies reactivas del oxígeno mitocondrial espermático y la señalización lipídica. Rol en la infertilidad masculina (04/2023 - a la fecha)

Proyecto de investigación liderado por la Dra. Sapiro. Financiado por Programa CSIC I+D 2023.

Fundamental

5 horas semanales

Unidad Académica de Histología y Embriología , Integrante del equipo

Equipo: PEREYRA, S. , SAPIRO, R.

Palabras clave: reproducción lípidos infertilidad masculina

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Reproductiva /

Análisis de metilación de promotores de genes candidatos en Parto Prematuro y Leucemia Mieloblástica Aguda (02/2018 - a la fecha)

Análisis de metilación de promotores en genes diferencialmente expresados entre prematuros severos y partos a término en membranas fetales, mediante tratamiento con bisulfato de sodio y secuenciación dirigida, y en genes candidatos de Leucemia mieloblástica aguda.

Fundamental

10 horas semanales

Departamento de Genética , Coordinador o Responsable

Equipo: Bernardo Rómulo BERTONI JARA , Mónica CAPETTA SAPRIZA , Silvana María PEREYRA LEPRE

Palabras clave: Epigenética Parto prematuro

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Impacto de la restricción de sueño materno sobre la rata madre y su progenie: mecanismos endocrinos y moleculares. (11/2023 - a la fecha)

El objetivo esta línea de investigación es dilucidar las bases hormonales que acompañan a los efectos encontrados a partir de la restricción de sueño materno, así como sus posibles consecuencias en la progenie. Para ello nos centramos en los aspectos hormonales, mediante diferentes estrategias: se evalúan niveles plasmáticos de diversas hormonas, se analizan los niveles de expresión génica en tejidos claves, y se realiza un análisis epigenético de los genes que estén diferencialmente expresados en dichos tejidos.

Fundamental

8 horas semanales

Departamento de Genética , Coordinador o Responsable

Equipo: LUCIANA BENEDETTO , PEREYRA, S.

Palabras clave: epigenética ARNseq transcriptómica restricción de sueño ratas expresión génica metilación del ADN hormonas

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Reproductiva /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Transcriptómica

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Epigenética

Epidemiología genética en cáncer: Búsqueda de marcadores de susceptibilidad al cáncer de mama y melanoma en la población uruguaya (10/2009 - a la fecha)

Mixta

3 horas semanales

Departamento de Genética , Integrante del equipo

Equipo: BRIGNIONI, L. , COLISTRO, V. , M. CAPETTA , BERTONI, B.

Palabras clave: SNPs Melanoma Cáncer de mama

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Expresión genética de membranas fetales en parto prematuro (11/2016 - 06/2020)

El parto pretérmino (PPT) es aquel que se produce antes de las 37 semanas de gestación, y es la mayor causa de morbi-mortalidad perinatal a nivel mundial. Es considerado una entidad compleja donde existen varios factores ambientales asociados (infecciones maternas, bajo nivel socioeconómico, edad materna, entre otros). La existencia de diferencias étnicas y agregación

familiar indica que existen factores genéticos que predisponen al PPT. Se han identificado varios polimorfismos genéticos que confieren riesgo de presentar PPT, principalmente en genes relacionados con mecanismos de inflamación y coagulación. Previamente, nuestro grupo detectó una asociación entre la presencia de la variante Asp299Gly del Receptor de tipo Toll 4 (TLR4) y la prematuridad severa (i.e. menor a 33 semanas de gestación). La estimulación de TLR4 con sus ligandos induce cascadas de señalización que provocan una respuesta inflamatoria, por la liberación de citoquinas proinflamatorias en las células epiteliales del útero, membranas fetales y placenta. Se ha propuesto que la inflamación intrauterina resulta en el inicio del parto a término y pretérmino, pero las bases moleculares no se han dilucidado aun. Durante el trabajo de parto a término, las membranas corioamnióticas tienen un perfil de expresión génica diferente de acuerdo a los sectores que se examinen, coincidente con los cambios histológicos observados en las mismas en ese momento. Este perfil de expresión génica es consistente con una activación de las vías de inflamación y de adhesión celular. Los patrones de expresión génica diferencial han probado ser relevantes para entender la susceptibilidad a enfermedades genéticas complejas. En este contexto, este proyecto propone comparar la expresión génica entre el parto desencadenado a término y pretérmino severo, analizando el transcriptoma de la membrana corioamniótica en mujeres en ambas situaciones. Se busca identificar genes diferencialmente expresados relacionados con el parto prematuro. A su vez se busca identificar polimorfismos genéticos asociados con expresión diferencial en estos dos grupos, que permitan identificar susceptibilidad a esta patología.

Mixta

20 horas semanales

Departamento de Genética, Coordinador o Responsable

Equipo: SAPIRO, R., BERTONI, B.

Palabras clave: Parto prematuro Transcriptómica expresión génica

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

Papel del Receptor Toll TLR4 en el Síndrome de Ovario Poliquístico (01/2010 - 01/2016)

El síndrome de ovario poliquístico (PCOS) es la causa más común de infertilidad anovulatoria, afectando cerca del 10% de las mujeres en edad reproductiva. Aunque se han postulado múltiples causas de esta enfermedad, su etiología permanece desconocida. Si bien la PCOS es considerada como un estado proinflamatorio, relativamente poco se conoce acerca de si mecanismos inmune/inflamatorios podrían contribuir a inducir un crecimiento anormal de los folículos ováricos. Las células granulosa foliculares son capaces de responder a las endotoxinas como el LPS y producir TNF- α . El LPS inhibe la expresión de la enzima aromatasa y la secreción de estrógenos. Dado que el incremento de andrógenos versus estrógenos se encuentra asociado al PCOS, una respuesta diferencial al LPS podría modular el crecimiento anormal de los folículos durante la formación de quistes. Se han descrito receptores a LPS que constituyen la familia de receptores toll. Conocidos polimorfismos genéticos de esta familia podrían explicar diferentes susceptibilidades entre la población. Para abordar esta propuesta, estamos realizando un estudio con pacientes mujeres que presenten o no PCOS y estamos analizando la incidencia del polimorfismo Asp299Gly de TLR4 en ambas poblaciones. En estudios in vitro examinaremos la habilidad de las células de la granulosa de mujeres con y sin PCOS de responder al LPS. Este trabajo nos permitirá aportar nuevos datos acerca de la etiología y patogenia del PCOS, introducir en nuestro país el estudio de una enfermedad frecuente en mujeres jóvenes, y finalmente mejorar el entrenamiento de investigadores en aspectos epidemiológicos y moleculares de la reproducción humana.

13 horas semanales

Departamento de Histología y Embriología, Laboratorio de Biología de la Reproducción, Integrante del equipo

Equipo: Rossana SAPIRO SCHWARTZ, CHÁVEZ, R., ALCIATURI, J., ANESETTI, G., MAS DE AYALA, J.

Palabras clave: Síndrome de Ovario Poliquístico infertilidad Asociación genética

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Reproductiva /

Determinación del riesgo genético en el parto prematuro en la población uruguaya (09/2010 - 09/2015)

El parto pretérmino es aquel que se produce antes de las 37 semanas de edad gestacional, y es la mayor causa de morbilidad y mortalidad perinatal a nivel mundial. En Sudamérica, más del 10% de los recién nacidos son prematuros, y la incidencia es entre 8% y 10% en Uruguay. No se ha podido

identificar una causa única del parto pretérmino, por lo que actualmente se prefiere describir al mismo como un síndrome, bajo el cual subyacen múltiples causas médicas, sociales y ambientales. Existen diferencias étnicas y predisposición en algunas familias que permiten postular la presencia de factores genéticos que predisponen al PPT. La infección e inflamación son vías comunes conocidas y que están asociadas con el desencadenamiento del parto prematuro. Citoquinas proinflamatorias como la IL-1, TNF α , y otros mediadores inflamatorios tienen un papel importante en la cascada de eventos que desencadenan el PTB. La mayoría de los estudios genéticos de asociación a PTB han demostrado alteraciones genéticas en estos mediadores. Nuestra propuesta comprende el uso de la técnica de PCR en tiempo real para la asignación de genotipos de polimorfismos de nucleótido simple (SNP). Para esto desarrollamos un ensayo que nos permite estudiar simultáneamente varios SNPs de manera rápida y económica. Mediante un diseño de casos-controles pretendemos estudiar el grado de asociación genética de cada SNP con el parto prematuro en la población uruguaya, y analizar la distribución de estas variantes alélicas en el Uruguay. A más largo plazo ésta técnica podría ser utilizada como plataforma para cualquier SNP o grupo de polimorfismos.

20 horas semanales

Departamento de Genética, Integrante del equipo

Equipo: VELÁZQUEZ, T., BERTONI, B., SAPIRO, R.

Palabras clave: SNP Parto prematuro Asociación genética

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas /

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

Producción de especies reactivas del oxígeno mitocondrial espermático y la señalización lipídica. Rol en la infertilidad masculina (04/2023 - a la fecha)

Proyecto de investigación liderado por la Dra. Sapiro. Programa CSIC I+D 2023.

5 horas semanales

Unidad académica de Histología y Embriología

Investigación

Integrante del Equipo

En Marcha

RRHH formados en el proyecto:

Pregrado:1

Maestría/Magister:1

Financiación:

Comisión Sectorial de Investigación Científica, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: PEREYRA, S., SAPIRO, R.

Palabras clave: infertilidad masculina reproducción lípidos metabolitos

Genética a las aulas (08/2023 - a la fecha)

Proponemos realizar talleres de genética en aulas de educación secundaria nivel bachillerato, en una experiencia de laboratorio en las que los estudiantes puedan desarrollar su pensamiento crítico. Así, buscamos acercar a estos estudiantes a la tarea científica y en particular a la investigación en genética. En los talleres, los y las estudiantes podrán familiarizarse con metodologías y técnicas utilizadas en la investigación genética, discutir buenas prácticas de laboratorio, conocer diseños experimentales adecuados y discutir la utilidad de los análisis genéticos en salud humana. El proyecto de trabajo tiene como objetivo promover el interés de los jóvenes por la ciencia e impulsar su curiosidad, así como democratizar el acceso a la ciencia en la población y visibilizar el rol de las mujeres en la investigación científica. En el taller, los y las estudiantes analizarán genotipos relacionados con el fenotipo de intolerancia a la lactosa. Los estudiantes realizarán una electroforesis para evaluar el tamaño de fragmentos de ADN en muestras proveídas por las investigadoras, lo que les permitirá determinar el genotipo de las muestras analizadas, y así predecir su fenotipo. La actividad trata temas de genética, biología molecular y biotecnología, y se brindará un protocolo de trabajo y material de apoyo para los estudiantes, así como material suplementario para el docente. Antes y después de la actividad, se pedirá a los estudiantes que completen un cuestionario orientado a conceptos de genética y método científico, para evaluar lo aprendido, y evaluarán y darán su opinión sobre la actividad. El proyecto es llevado a cabo por investigadoras, docentes y estudiantes del Departamento de Genética, en la búsqueda de acercar a los estudiantes a la ciencia, y de generar una instancia de intercambio y articulación entre la Universidad de la República y el resto de la educación pública. 5 horas semanales

Unidad Académica de Genética
Extensión
Coordinador o Responsable
En Marcha
RRHH formados en el proyecto:
Pregrado:3
Doctorado:1
Financiación:
Servicio Central de Extensión y Actividades en el Medio, Uruguay, Apoyo financiero
Equipo: PEREYRA, S. (Responsable) , CAPPETTA M (Responsable)
Palabras clave: genética divulgación liceos democratización laboratorio
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Secuenciación dirigida y enriquecida por software de genes candidatos en parto prematuro (09/2023 - a la fecha)

Proyecto Despegue Científico PEDECIBA.
8 horas semanales
Unidad académica de Genética
Investigación
Coordinador o Responsable
En Marcha
RRHH formados en el proyecto:
Pregrado:1
Financiación:
Área Biología (PEDECIBA), Uruguay, Apoyo financiero
Equipo: PEREYRA, S. (Responsable) , CAPPETTA M
Palabras clave: adaptive sampling nanopore secuenciación dirigida genómica epigenética
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Caracterización del transcriptoma, marcadores epigenéticos y cambios plasmáticos hormonales vinculados a la restricción crónica y aguda de sueño en ratas madres y sus progenies (05/2024 - a la fecha)

La restricción del sueño es una situación estresante en sí misma que puede tener efectos nocivos en diversos aspectos fisiológicos. Sin embargo, la literatura sobre sus efectos durante el período postparto ya sea en madre como en sus crías es escasa. En este sentido, nuestro grupo de investigación ha demostrado que la restricción del sueño en ratas madre provoca alteraciones en el comportamiento materno, la composición de la leche, la ganancia de peso de las crías y la ingesta de comida y agua por parte de la madre. Estos hallazgos pueden alterar no solo otros aspectos de la madre sino también al desarrollo de las crías. Además, la mayoría de estas variables tienen un fuerte componente hormonal como sistema de regulación y, curiosamente, el sueño regula gran parte de las hormonas involucradas. En este contexto, nos proponemos caracterizar el transcriptoma, marcadores epigenéticos en tejidos claves, y cambios plasmáticos hormonales vinculados a la restricción crónica y aguda de sueño en ratas madres y su progenie. La integración de los diferentes abordajes metodológicos (análisis de expresión génica, metilación de ADN y niveles plasmáticos hormonales) permitirá identificar mecanismos moleculares causados por la restricción de sueño materno.

10 horas semanales
Investigación
Coordinador o Responsable
En Marcha
RRHH formados en el proyecto:
Pregrado:1
Maestría/Magister:1
Financiación:
Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero
Equipo: PEREYRA, S. (Responsable) , LUCIANA BENEDETTO (Responsable)
Palabras clave: postparto privación de sueño sueño materno cuidado maternal
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Reproductiva /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Análisis transcriptómico de ARN circulante en mujeres embarazadas para la identificación de

biomarcadores candidatos tempranos del parto pretérmino (04/2024 - a la fecha)

Identificar tempranamente a pacientes en riesgo de enfermedades obstétricas es clave para mejorar la atención médica y desarrollar nuevas intervenciones terapéuticas. El parto prematuro (PPT) es un problema de salud humana mundial, representando la principal causa de muerte neonatal y de muerte infantil en menores de 5 años. A pesar de los avances en investigación y atención perinatal, la tasa de partos prematuros ha ido en aumento en los últimos años. Es necesaria una mejor comprensión de los factores biológicos que contribuyen al desencadenamiento del parto prematuro para identificar a las mujeres en riesgo temprano y permitir una intervención adecuada. Este proyecto tiene como objetivo caracterizar el transcriptoma del ARN circulante de plasma materno de mujeres embarazadas en su segundo trimestre, de forma de identificar biomarcadores candidatos tempranos del parto pretérmino espontáneo. Hipotetizamos que los perfiles de expresión génica en el plasma materno diferirán entre los casos de PPT y los controles normales, lo que permitirá la identificación de genes diferencialmente expresados que serán biomarcadores candidatos para el diagnóstico temprano de PPT.

15 horas semanales

Investigación

Coordinador o Responsable

En Marcha

RRHH formados en el proyecto:

Pregrado:1

Especialización:1

Financiación:

Comisión Sectorial de Investigación Científica, Uruguay, Apoyo financiero

Dirección de Innovación, Ciencia y Tecnología, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: PEREYRA, S. (Responsable), B. BERTONI, CAPPETTA M, BRIOZZO, L., Dra. Paula

Oholeguy, Coppola F., s. viroga

Palabras clave: parto prematuro biomarcadores embarazo arn circulante

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ciencias Biológicas / Genética

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Ciencias Biomédicas Sociales /

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Epidemiología /

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas /

Papel del estradiol en la maduración del comportamiento sexual de la rata hembra durante la adolescencia (05/2024 - a la fecha)

5 horas semanales

Investigación

Integrante del Equipo

En Marcha

RRHH formados en el proyecto:

Pregrado:1

Maestría/Magister:1

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: PEREYRA, S., AGRATI D (Responsable), BEDÓ, G., URIARTE, N.

Palabras clave: adolescencia estradiol transcriptomics

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Reproductiva /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Expresión génica de membranas fetales en parto prematuro (04/2014 - 04/2016)

Parte de proyecto de tesis de doctorado. El parto pretérmino (PPT) es aquel que se produce antes de las 37 semanas de gestación, y es la mayor causa de morbi-mortalidad perinatal a nivel mundial. Es considerado una entidad compleja donde existen varios factores ambientales asociados (infecciones maternas, bajo nivel socioeconómico, edad materna, entre otros). La existencia de diferencias étnicas y agregación familiar indica que existen factores genéticos que predisponen al PPT. Se han identificado varios polimorfismos genéticos que confieren riesgo de presentar PPT, principalmente en genes relacionados con mecanismos de inflamación y coagulación. Previamente, nuestro grupo detectó una asociación entre la presencia de la variante Asp299Gly del Receptor de tipo Toll 4 (TLR4) y la prematuridad severa (i.e. menor a 33 semanas de gestación). La estimulación de TLR4 con sus ligandos induce cascadas de señalización que provocan una respuesta inflamatoria,

por la liberación de citoquinas proinflamatorias en las células epiteliales del útero, membranas fetales y placenta. Se ha propuesto que la inflamación intrauterina resulta en el inicio del parto a término y pretérmino, pero las bases moleculares no se han dilucidado aun. Durante el trabajo de parto a término, las membranas corioamnióticas tienen un perfil de expresión génica diferente de acuerdo a los sectores que se examinen, coincidente con los cambios histológicos observados en las mismas en ese momento. Este perfil de expresión génica es consistente con una activación de las vías de inflamación y de adhesión celular. Los patrones de expresión génica diferencial han probado ser relevantes para entender la susceptibilidad a enfermedades genéticas complejas. En este contexto, este proyecto propone comparar la expresión génica entre el parto desencadenado a término y pretérmino severo, analizando el transcriptoma de la membrana corioamniótica en mujeres en ambas situaciones. Se busca identificar genes diferencialmente expresados relacionados con el parto prematuro. A su vez se busca identificar polimorfismos genéticos asociados con expresión diferencial en estos dos grupos, que permitan identificar susceptibilidad a esta patología.

20 horas semanales

Departamento de Genética

Investigación

Coordinador o Responsable

Concluido

Financiación:

Comisión Sectorial de Investigación Científica, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: BERTONI, B. , Rossana SAPIRO SCHWARTZ

Palabras clave: Parto prematuro secuenciación masiva expresión génica

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

Desarrollo de técnicas para la determinación del riesgo genético en el parto prematuro aplicables en el sector (09/2009 - 09/2015)

El parto pretérmino (PPT), definido como aquel que se produce antes de las 37 semanas de edad gestacional, es la mayor causa de morbilidad y mortalidad perinatal a nivel mundial. En Sudamérica, más del 10% de los recién nacidos son prematuros, y la incidencia es entre 8% y 10% en Uruguay. Existen numerosos factores ambientales asociados al parto prematuro (infecciones maternas, bajo nivel socioeconómico). A su vez, existen diferencias étnicas y predisposición en algunas familias que permiten postular la presencia de factores genéticos que predisponen al PPT. Recientemente se ha encontrado asociación entre la incidencia de parto prematuro y varios polimorfismos de nucleótido simple (SNP), principalmente en genes relacionados con mecanismos de inflamación y coagulación. La técnica de PCR a tiempo real, seguida de un análisis de desnaturalización simple y de alta resolución (HRM), puede identificar cambios hasta en un único nucleótido. El objetivo general de este trabajo consiste en desarrollar una técnica sensible, rápida, poco costosa y de fácil manejo por operadores no necesariamente familiarizados con las técnicas de Biología Molecular que permita detectar SNP asociados al riesgo de parto prematuro y crear una técnica que, mediante la combinación del estudio de varios genes permita detectar el riesgo de PTB. A más largo plazo ésta técnica podría ser utilizada como plataforma para cualquier SNP o grupo de polimorfismos.

20 horas semanales

Departamento de Genética

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

Financiación:

Comisión Sectorial de Investigación Científica, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: ALONSO, J. , BERTONI, B. (Responsable) , REY, G. , GRASSO, D. , VELÁZQUEZ, T. , Rossana SAPIRO SCHWARTZ (Responsable)

Palabras clave: Parto prematuro Riesgo genetico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Biotecnología relacionada con la Salud /

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

Papel del Toll Receptor 4 en el Síndrome de Ovario Poliquístico (PCOS) (01/2010 - 04/2015)

El síndrome de ovario poliquístico (PCOS) es la causa más común de infertilidad anovulatoria, afectando cerca del 10% de las mujeres en edad reproductiva. Aunque se han postulado múltiples causas de esta enfermedad, su etiología permanece desconocida. Si bien la PCOS es considerada como un estado proinflamatorio, relativamente poco se conoce acerca de si mecanismos

inmune/inflamatorios podrían contribuir a inducir un crecimiento anormal de los folículos ováricos. Las células granulosa foliculares son capaces de responder a las endotoxinas como el LPS y producir TNF- α . El LPS inhibe la expresión de la enzima aromatasa y la secreción de estrógenos. Dado que el incremento de andrógenos versus estrógenos se encuentra asociado al PCOS, una respuesta diferencial al LPS podría modular el crecimiento anormal de los folículos durante la formación de quistes. Se han descrito receptores a LPS que constituyen la familia de receptores toll. Conocidos polimorfismos genéticos de esta familia podrían explicar diferentes susceptibilidades entre la población. Para abordar esta propuesta, estamos realizando un estudio con pacientes mujeres que presenten o no PCOS y estamos analizando la incidencia del polimorfismo Asp299Gly de TLR4 en ambas poblaciones. En estudios in vitro examinaremos la habilidad de las células de la granulosa de mujeres con y sin PCOS de responder al LPS. Este trabajo nos permitirá aportar nuevos datos acerca de la etiología y patogenia del PCOS, introducir en nuestro país el estudio de una enfermedad frecuente en mujeres jóvenes, y finalmente mejorar el entrenamiento de investigadores en aspectos epidemiológicos y moleculares de la reproducción humana.

13 horas semanales

Departamento de Histología y Embriología

Investigación

Integrante del Equipo

En Marcha

Financiación:

Comisión Sectorial de Investigación Científica, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: ANESETTI, G., MAS DE AYALA, J., SAPIRO, R. (Responsable), CHÁVEZ, R. (Responsable)

Palabras clave: Síndrome de Ovario Poliquístico Asociación genética

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Biotecnología relacionada con la Salud / Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / Biología de la Reproducción

DOCENCIA

Carrera de Doctor en Medicina (05/2019 - a la fecha)

Pregrado

Invitado

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Bioinformática

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

Doctor en Ciencias Médicas (10/2012 - a la fecha)

Pregrado

Invitado

Asignaturas:

Ciclo Introductorio, 8 horas, Teórico-Práctico

Ciclo Básico Clínico Comunitario 1, 12 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Escuela Universitaria de Tecnología Médica (02/2013 - a la fecha)

Grado

Invitado

Asignaturas:

ESFUNO, 10 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Programa de Desarrollo Ciencias Básicas (PEDECIBA) (05/2020 - a la fecha)

Maestría

Invitado

Asignaturas:

EPIGENÉTICA: REGULACIÓN DE LA EXPRESIÓN GÉNICA Y AMBIENTE, 60 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Programa Desarrollo de las Ciencias Basicas (09/2011 - 09/2020)

Maestría

Invitado

Asignaturas:

Aplicaciones de la PCR en Tiempo Real a la Investigación, 4 horas, Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas /

Doctor en Ciencias Médicas (06/2013 - 07/2019)

Pregrado

Invitado

Asignaturas:

CBCC5, 4 horas, Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología del Desarrollo /

Programa Desarrollo de las Ciencias Basicas (05/2013 - 11/2017)

Maestría

Invitado

Asignaturas:

Aplicaciones de la PCR en Tiempo Real a la Investigación, 4 horas, Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas /

Programa Desarrollo de las Ciencias Basicas (06/2017 - 06/2017)

Maestría

Invitado

Asignaturas:

Expresión génica en eucariotas: cambio de paradigmas en el estudio de su regulación y abordajes de investigación., 20 horas, Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Celular, Microbiología /

Escuelas de Tecnología Medica (EUTM) (02/2015 - 12/2016)

Pregrado

Organizador/Coordinador

Asignaturas:

ESFUNO, 8 horas, Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Programa Desarrollo de las Ciencias Basicas (10/2014 - 10/2014)

Maestría

Invitado

Asignaturas:

Introducción a la Virología Molecular, 3 horas, Teórico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas /

EXTENSIÓN

Comisión organizativa de Feria "Medicina Investiga", una Feria de Ciencias de la Facultad de Medicina,

organizada por la Comisión de Divulgación en Investigación Científica de la Facultad de Medicina (03/2022 - a la fecha)

Comisión de Divulgación en Investigación Científica de la Facultad de Medicina 4 horas

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Ciencias de la Salud / Ciencias de la Salud /

Ciencias Médicas y de la Salud / Otras Ciencias Médicas / Otras Ciencias Médicas / Divulgación científica

Responsable de Proyecto de Extensión "Genética en las aulas" del llamado "Actividades en el Medio 2023-2024" de SCEAM. Proyecto de difusión de la genética en liceos, con trabajo de laboratorio. (08/2023 - a la fecha)

Unidad académica de Genética 3 horas

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Responsable de gestionar perfil del Departamento de Genética en redes sociales (07/2019 - 05/2024)

Se mantienen y genera contenido para redes sociales del Departamento de Genética: Twitter, Facebook e Instagram (@geneticafmed) 5 horas

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

Micropasantías PEDECIBA. Realización de pasantías cortas para grupos de liceo (bachillerato) para realizar actividad de investigación/laboratorio (09/2023 - 09/2023)

Unidad Académica de Genética 5 horas

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Ciencias Sociales / Ciencias de la Educación / Educación General /

Taller: "Extracción de ADN con utensilios de cocina", en el marco de la Semana de la Ciencia y la Tecnología (Ministerio de Educación y Cultura) (06/2023 - 06/2023)

Departamento de Genética, Liceo N°1 José Enrique Rodó, Taller par 4tos años 4 horas

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Entrevista para artículo periodístico: "Científicos uruguayos hallan genes candidatos para prematuridad" (10/2021 - 10/2021)

Diario El País. 15 de Octubre de 2021., Reportero responsable: María de los Ángeles Orfila. <https://www.elpais.com.uy/vida-actual/cientificos-uruguayos-hallan-genes-candidatos-prematurez.html>

2 horas

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

Taller: "Extracción de ADN con utensilios de cocina", en el marco de la Semana de la Ciencia y la Tecnología (Ministerio de Educación y Cultura). (05/2020 - 06/2021)

Departamento de Genética 4 horas

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Taller: "Extracción de ADN con utensilios de cocina", en el marco de la Semana de la Ciencia y la Tecnología (Ministerio de Educación y Cultura) (05/2021 - 05/2021)

Departamento de Genética 4 horas

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Entrevista en ciclo radial "Dosis de Ciencia" en programa Comunidad Udelar, en Uniradio 107.3FM (03/2021 - 03/2021)

1 horas

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Taller: "Extracción de ADN con utensilios de cocina", en el marco de la Semana de la Ciencia y la Tecnología (Ministerio de Educación y Cultura) (05/2019 - 06/2019)

a) Escuela No14 José de San Martín (Montevideo); b) la Escuela No45 Mtra. Prasedes Pino de El Colorado (Canelones);c) Escuela No52 Dr. Semiramides Zeballos de Young (Fray Bentos) 6 horas
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Taller: "Extracción de ADN con utensilios de cocina", en el marco de la Semana de la Ciencia y la Tecnología (Ministerio de Educación y Cultura). (05/2018 - 05/2018)

Liceo Arnold Gessell (Montevideo), Liceo N°42 (Montevideo), Liceo Nuestra Señora de Guadalupe (Canelones). 6 horas
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

GESTIÓN ACADÉMICA

Integrante de la Comisión de Divulgación de Investigación Científica de la Facultad de Medicina (07/2020 - a la fecha)

Participación en consejos y comisiones 4 horas semanales
Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / Divulgación científica

SECTOR EXTRANJERO/INTERNACIONAL/OTROS - ESTADOS UNIDOS

Software Carpentry

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Colaborador (04/2018 - 04/2023)

Responsable de manutención de lecciones 3 horas semanales
Colaboración honoraria en la generación, manutención y actualización de lecciones vinculadas al sistema UNIX y uso de R para análisis científicos.

ACTIVIDADES

ACTIVIDAD HONORARIA

Administrador de lecciones sobre uso de UNIX y R para análisis científicos. Cumpló con generar y/o traducir, revisar y actualizar las lecciones en español. (04/2018 - 04/2023)

3 horas semanales
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Otros Tópicos Biológicos / Análisis de datos biológicos

SECTOR GOBIERNO/PÚBLICO - AGENCIA NACIONAL DE INVESTIGACIÓN E INNOVACIÓN - URUGUAY

Agencia Nacional de Investigación e Innovación / SNI

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Otro (06/2011 - 06/2018)

Candidato a Investigador SNI 1 hora semanal
Integrante del Sistema Nacional de Investigadores, Nivel Candidato a Investigador

SECTOR EMPRESAS/PRIVADO - EMPRESA PRIVADA - URUGUAY

Asociación Española Primera de Socorros Mutuos

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (11/2010 - 10/2016) Trabajo relevante

Biólogo - Profesional no médico 30 horas semanales

ACTIVIDADES**LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN****Historia epidemica del virus de la Hepatitis C en Uruguay (11/2010 - 10/2014)**

Mixta

1 horas semanales

Laboratorio de Biología Molecular., Integrante del equipo

Equipo: R. URIARTE, S. BOSCHI, CRISTINA, J., IFRÁN, S., COLINA, R., CASTELLS, M., BELLO, G.

Palabras clave: filogenética Hepatitis C

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología /

Analisis filogenetico del gen de la neuroaminidasa en el virus H1N1 circulante en Uruguay (11/2010 - 04/2014)

Mixta

5 horas semanales

Laboratorio de Biología Molecular., Integrante del equipo

Equipo: R. URIARTE, M. CAPPETTA, S. BOSCHI, SOÑORA, M., COMAS, V., MORENO, P., MORATORIO, G., CRISTINA, J., IFRÁN, S.

Palabras clave: filogenética Influenza A

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO**Diagnóstico molecular de virosis emergentes de gran impacto en la salud (06/2011 - 06/2014)**

5 horas semanales

Laboratorio de Técnicas Especializadas, Sector Biología Molecular

Desarrollo

Integrante del Equipo

En Marcha

Equipo: R. URIARTE (Responsable), M. CAPPETTA, S. BOSCHI

Palabras clave: Diagnóstico molecular Enfermedades infecciosas

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Biotecnología relacionada con la Salud /

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

CAPACITACIÓN/ENTRENAMIENTOS DICTADOS**Asociacion Española, Laboratorio de Biología Molecular (06/2011 - 10/2016)**

Entrenamiento y capacitación de laboratorio a nuevos técnicos que ingresan al laboratorio.

10 horas semanales

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas /

SERVICIO TÉCNICO ESPECIALIZADO**Profesional de laboratorio clínico para realizar diagnóstico con herramientas de biología molecular. (11/2010 - 10/2016)**

Laboratorio de Técnicas Especializadas, Sector Biología Molecular

30 horas semanales

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Biotecnología relacionada con la Salud /

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PÚBLICO - UNIVERSIDAD DE LA REPÚBLICA - URUGUAY

Facultad de Ciencias / Sección genética evolutiva

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Colaborador (01/2010 - 06/2010)

15 horas semanales

Escalafón: No Docente

Cargo: Interino

Becario (11/2007 - 12/2009)

Becario de Postgrado 40 horas semanales

Beca de Posgrado expedida por PEDECIBA - ANII, ganada por concurso de méritos, para realizar la Maestría en Ciencias Biológicas, opción Genética.

Escalafón: No Docente

Cargo: Interino

Funcionario/Empleado (04/2007 - 10/2007)

Ayudante G1 en apoyo a proyecto 20 horas semanales

Cargo designado para trabajar como investigador en el proyecto "Iniciación a la Investigación CSIC "Filogeografía de *Mustelus schmitti* en el Atlántico Sudoccidental", del cual fui responsable.

Escalafón: Docente

Grado: Grado 1

Cargo: Interino

Colaborador (01/2006 - 03/2007)

Colaborador honorario 25 horas semanales

Escalafón: No Docente

Cargo: Interino

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Aislamiento y caracterización de microsatélites en especies ictícolas (04/2007 - 06/2010)

Fundamental

10 horas semanales

Sección Genética Evolutiva , Integrante del equipo

Equipo: GARCÍA, G. , GUTIERREZ, V. , RIOS, N.

Palabras clave: Microsatélites *Mustelus schmitti* *Austrolebias* sp.

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Diversidad genética y estructura poblacional en ciclidos (04/2004 - 04/2010)

Estudio de diversidad y estructura genética poblacional de peces ciclidos en Uruguay

Fundamental

20 horas semanales

Instituto de Biología, Sección Genética Evolutiva , Integrante del equipo

Equipo: Graciela GARCÍA DE SOUZA , RIOS, N.

Palabras clave: Cichlidae Genética de poblaciones Biodiversidad

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Sistemática

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Filogenética

Estructura genética poblacional de elasmobranchios (04/2007 - 12/2009)

Las pesquerías de elasmobranquios han incrementado notoriamente su actividad en las últimas décadas. La estrategia de vida K presente en la mayoría de los tiburones resulta en un reducido potencial reproductivo de estas especies, que limita su habilidad para recuperarse de la sobreexplotación. Esta situación requiere medidas de manejo y conservación inmediatas. Claramente, planes de manejo diseñados para peces teleósteos son inapropiados para su uso en tiburones, por lo que se requiere conocimiento de la estructura y dinámica poblacional de las especies manejadas, que permitan elaborar planes adecuados. Por lo tanto, nuestro objetivo es determinar la diversidad genética y la estructura poblacional de diferentes especies de elasmobranquios en el Río de la Plata y su Frente Marítimo, mediante una aproximación filogeográfica.

40 horas semanales

Instituto de Biología, Sección Genética Evolutiva, Integrante del equipo

Equipo: GARCÍA, G., OVIEDO, S., GUTIERREZ, V.

Palabras clave: Filogeografía Estructura poblacional Pesquerías

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Biología de Poblaciones

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

Identificación de stock y caracterización del gatuzo (*Mustelus sp.*) y del angelito (*Squatina sp.*) en el Río de la Plata y su Frente Marítimo (04/2007 - 12/2009)

20 horas semanales

Instituto de Biología, Sección Genética Evolutiva

Investigación

Integrante del Equipo

Concluido

RRHH formados en el proyecto:

Pregrado:2

Maestría/Magister:2

Equipo: GARCÍA, G. (Responsable), VERGARA, J., OVIEDO, S., GUTIERREZ, V., DOMINGO, A., MILLER, P.

Palabras clave: Genética de poblaciones Elasmobranquios Estructura poblacional

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Filogenética

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Zoología, Ornitología, Entomología, Etología /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

Filogeografía de *Mustelus schmitti* en el Atlántico Sudoccidental (04/2007 - 11/2007)

Proyecto Iniciación a la Investigación CSIC 2006 - Modalidad II. En las últimas décadas, las pesquerías de elasmobranquios han incrementado sustancialmente su actividad. Por su estrategia de vida, los condricios poseen un reducido potencial reproductivo, lo que los hace extremadamente vulnerables a los efectos de la sobrepesca y al colapso de la población. El gatuzo (*Mustelus schmitti*) es explotado intensamente por pesquerías industriales y artesanales de Argentina, Uruguay y el sur de Brasil, pero a pesar de su importancia comercial, poco se sabe acerca de su estructura poblacional. En este estudio se prevé emplear marcadores moleculares robustos (secuencias de ADN mitocondrial y genes nucleares) para analizar la estructura genética poblacional del gatuzo, identificar stocks pesqueros en esta especie, determinar el patrón filogeográfico e inferir su historia demográfica. Los resultados que emerjan del presente proyecto podrán ser utilizados para diseñar planes de manejo pesquero para esta especie.

20 horas semanales

Instituto de Biología, Sección Genética Evolutiva

Investigación

Coordinador o Responsable

Concluido

Financiación:

Comisión Sectorial de Investigación Científica, Uruguay, Remuneración

Equipo: GARCÍA, G.

Palabras clave: Conservación Elasmobranquios Estructura poblacional

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Ecología

DOCENCIA

Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (04/2008 - 05/2008)

Maestría

Asignaturas:

Citogenética y Evolución, Módulo III: Complejidad, organización y evolución del genoma de peces, 6 horas, Teórico-Práctico

Organización y Evolución del Genoma Eucariota, 6 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Biología Molecular

Maestría en Ciencias Biológicas (UDELAR-PEDECIBA) (06/2007 - 06/2007)

Maestría

Asignaturas:

Citogenética y Evolución. Módulo III: Complejidad, organización y evolución del genoma de peces., 10 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

Licenciatura en Ciencias Biológicas (08/2004 - 11/2004)

Pregrado

Asignaturas:

Genética General / Genética Molecular I, 10 horas, Teórico-Práctico

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética

PASANTÍAS

(04/2004 - 12/2005)

Instituto de Biología, Sección Genética Evolutiva

20 horas semanales

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Sistemática

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

SECTOR EXTRANJERO/INTERNACIONAL/OTROS - ESTADOS UNIDOS

University of Nebraska - Lincoln

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Profesor visitante (10/2007 - 10/2007)

Pasante 40 horas semanales

Pasantía de postgrado, en marco de la realización de mi trabajo de tesis para la Maestría en Ciencias Biológicas (PEDECIBA). Realizada en el laboratorio del Dr. Guillermo Ortí.

ACTIVIDADES

PASANTÍAS

(10/2007 - 10/2007)

School of Biological Sciences, Laboratorio del Dr. Guillermo Ortí

40 horas semanales

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Bioquímica y Biología Molecular /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Filogenética

SECTOR ORGANIZACIONES PRIVADAS SIN FINES DE LUCRO/ORGANIZACIONES NO GUBERNAMENTALES - ORGANIZACIONES SIN FINES DE LUCRO - URUGUAY

Asociación Civil "Ciencia Viva"

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (09/2005 - 11/2005)

Disertante - Moderador 10 horas semanales

Disertante y moderador de Talleres para Maestros de escuelas primarias de Montevideo, Canelones y Maldonado, en el marco del lanzamiento del libro de Ciencias Naturales (5to y 6to año) de la Editorial AULA.

Funcionario/Empleado (05/2002 - 11/2005)

Orientador 10 horas semanales

Orientador de Muestra de Ciencia abierta a todo público, situada en el Planetario Municipal.

CARGA HORARIA

Carga horaria de docencia: 10 horas

Carga horaria de investigación: 20 horas

Carga horaria de formación RRHH: 7 horas

Carga horaria de extensión: 3 horas

Carga horaria de gestión: 5 horas

Producción científica/tecnológica

El parto pretérmino (PPT), definido como aquel ocurrido antes de las 37 semanas de edad gestacional, es un problema de salud mundial, siendo la mayor causa de morbilidad y mortalidad perinatal. En Sudamérica, las tasas de parto prematuro ascienden a más del 10%, y la incidencia es del 9% en Uruguay. Además del alto riesgo de muerte neonatal, los recién nacidos prematuros tienen una incidencia mayor de retraso en el desarrollo neurológico, enfermedades respiratorias y dificultades de visión y audición.

Los tratamientos médicos actuales fracasan en prolongar el tiempo de gestación en madres con amenaza de parto prematuro. El progreso en el entendimiento y la prevención del parto prematuro requerirá la elucidación de los mecanismos moleculares que lo desencadenan. La identificación de biomarcadores específicos de prematurez ha probado ser particularmente desafiante. La etiología del parto prematuro espontáneo es compleja y multifactorial, y se plantea que los factores genéticos son componentes causales importantes de la patología. Una característica de los fenotipos complejos es que no hay un único locus que contenga los alelos que son necesarios o suficientes para manifestar la enfermedad. Por lo tanto, es necesario utilizar metodologías integradoras o masivas para descifrar la complejidad y las causas de estas enfermedades, y lo estamos haciendo a nivel genómico, transcriptómico y epigenético.

En nuestro trabajo de investigación, analizamos los patrones de expresión génica (transcriptoma), los patrones de metilación del ADN, así como variantes de ADN poco frecuentes asociadas al parto prematuro severo encontradas en el genoma. Las variantes genéticas que afectan la regulación génica juegan un rol importante en la susceptibilidad a enfermedades complejas, considerándose la expresión génica como un determinante de la variación fenotípica. Hemos logrado definir un patrón de expresión de ARN característico del parto prematuro severo. La amplitud de los datos generados por el secuenciado masivo de ARN que realizamos nos permite buscar en el parto prematuro marcadores asociados con loci reguladores de expresión génica, conocidos como eQTLs. Así, analizando las secuencias obtenidas buscamos relacionar variantes genéticas con sus consecuencias funcionales, a nivel celular y molecular. De forma complementaria, estamos abordando el estudio de las modificaciones epigenéticas en promotores génicos, que expliquen diferencias encontradas en la expresión de estos genes. En particular, buscamos metilación diferencial del ADN en los promotores de los genes de interés para PPT.

En suma, nuestro trabajo de investigación apunta a entender mejor los mecanismos que provocan una característica de base genética compleja, como el parto pretérmino, y su evolución en la

Producción bibliográfica

ARTÍCULOS PUBLICADOS

ARBITRADOS

Transcriptomic analysis of fetal membranes reveals pathways involved in preterm birth (Completo, 2019) Trabajo relevante

PEREYRA, S., C.G. SOSA, B. BERTONI, SAPIRO, R.

BMC Medical Genomics, v.: 12 p.:53 - 67, 2019

Palabras clave: RNA-seq Preterm birth Gestational age Biomarkers

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas /

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 17558794

DOI: <https://doi.org/10.1186/s12920-019-0498-3>

<https://doi.org/10.1186/s12920-019-0498-3>

Versión previa del artículo publicada en bioRxiv 358945; doi: <https://doi.org/10.1101/358945>

<https://www.biorxiv.org/content/10.1101/358945v1.article-info>

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Interactions between environmental factors and maternal-fetal genetic variations: strategies to elucidate risks of preterm birth (Completo, 2016) Trabajo relevante

PEREYRA, S., B. BERTONI, SAPIRO, R.

European Journal of Obstetrics & Gynecology, v.: 202 p.:20 - 25, 2016

Palabras clave: PCR real time Parto prematuro Asociación genética factores ambientales

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas /

Medio de divulgación: Papel

ISSN: 00282243

DOI: [10.1016/j.ejogrb.2016.04.030](https://doi.org/10.1016/j.ejogrb.2016.04.030)

Epidemic history of major genotypes of hepatitis C virus in Uruguay (Completo, 2015)

CASTELLS, M., BELLO, G., IFRÁN, S., PEREYRA, S., S. BOSCHI, R. URIARTE, CRISTINA, J., COLINA, R.

Infection Genetics and Evolution, v.: 32 p.:231 - 238, 2015

Palabras clave: filogenética Evolucion Historia demografica

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología /

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: Elsevier

ISSN: 15671348

DOI: [10.1016/j.meegid.2015.03.021](https://doi.org/10.1016/j.meegid.2015.03.021)

<http://www.sciencedirect.com/science/article/pii/S1567134815001069>

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Phylogenetic analysis of the neuraminidase gene of pandemic H1N1 influenza A virus circulating in the South American region (Completo, 2015)

COMAS, V., MORATORIO, G., SOÑORA, M., GOÑI, N., PEREYRA, S., IFRÁN, S., MORENO, P., CRISTINA, J.

Virus Research, v.: 197 p.:1 - 7, 2015

Palabras clave: Evolucion Influenza A Neuroaminidasa

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /
Medio de divulgación: Papel
Lugar de publicación: ScienceDirect
ISSN: 01681702
DOI: [10.1016/j.virusres.2014.11.008](https://doi.org/10.1016/j.virusres.2014.11.008)
<http://www.sciencedirect.com/science/article/pii/S0168170214004523>
WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Population structure of *Squatina guggenheim* (Squatiniformes, Squatinidae) from South Western Atlantic Ocean (Completo, 2015)

GARCÍA, G., PEREYRA, S., GUTIERREZ, V., OVIEDO, S., MILLER, P., DOMINGO, A.
Journal of Fish Biology, v.: 86 p.:186 - 202, 2015
Palabras clave: microsatellite genetic population structure
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /
Medio de divulgación: Papel
Lugar de publicación: Wiley
ISSN: 00221112
E-ISSN: 10958649
DOI: [10.1111/jfb.12560](https://doi.org/10.1111/jfb.12560)
<http://onlinelibrary.wiley.com/doi/10.1111/jfb.12560/full>
WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Isolation and characterization of eight microsatellites from the South American annual fish *Austrolebias charrua* (Completo, 2014)

GUTIERREZ, V., PEREYRA, S., RIOS, N., GARCÍA, G.
Conservation Genetics Resources, v.: 6 4, p.:991 - 993, 2014
Palabras clave: Microsatellites *Austrolebias charrua* peces anuales
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Conservación de la Biodiversidad /
Medio de divulgación: Papel
Lugar de publicación: Springer Netherlands
ISSN: 18777252
E-ISSN: 18777260
DOI: [10.1007/s12686-014-0266-9](https://doi.org/10.1007/s12686-014-0266-9)
<http://link.springer.com/article/10.1007/s12686-014-0266-9>
WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Rapid multiplex high resolution melting method to analyze inflammatory related SNPs in preterm birth (Completo, 2012) Trabajo relevante

PEREYRA, S., VELÁZQUEZ, T., BERTONI, B., SAPIRO, R.
BMC Research Notes, 2012
Palabras clave: SNP Parto prematuro pcr multiplex
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /
Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas /
Medio de divulgación: Papel
E-ISSN: 17560500
<http://www.biomedcentral.com/1756-0500/5/69/abstract>
Scopus®

Low genetic diversity and population structure of the Narnose shark (*Mustelus schmitti*) (Completo, 2010) Trabajo relevante

PEREYRA, S., GARCÍA, G., MILLER, P., OVIEDO, S., DOMINGO, A.
Fisheries Research, v.: 106 3, p.:468 - 473, 2010
Palabras clave: *Mustelus schmitti* population genetic structure mtDNA genetic variability
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ecología /
Medio de divulgación: Papel

ISSN: 01657836

DOI: [10.1016/j.fishres.2010.09.022](https://doi.org/10.1016/j.fishres.2010.09.022)

<http://dx.doi.org/10.1016/j.fishres.2010.09.022>

The narrownose smooth-hound shark *Mustelus schmitti* is a coastal species endemic to the Southwest Atlantic Ocean. As this species is an important fishery resource, there is interest in knowing its genetic population structure. In this study, we used mitochondrial cytochrome b gene sequences to examine the genetic structure of the narrownose smooth-hound populations within the Río de la Plata and its Maritime Front in the SW Atlantic Ocean. We found no evidence for genetic structure in the analyzed samples. Low levels of pairwise F_{ST} values indicated high connectivity and suggested genetic homogeneity at this geographic range. Additionally, notably low nucleotide and haplotype diversities found in this species could indicate that *M. schmitti* experienced a population bottleneck, recent expansion or selection. The results presented here indicate that *M. schmitti* exists as a single demographic unit in the Río de la Plata and its Maritime Front. The low genetic diversity values found in the present study, together with the low resilience to exploitation of this species, raise considerable concern over the conservation status of *M. schmitti*.

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Patterns of genetic differentiation in the *Gymnogeophagus gymnogenys* species complex, a neotropical cichlid from South American basins (Completo, 2008)

PEREYRA, S., GARCÍA, G.

Environmental Biology of Fishes, v.: 83 3, p.:245 - 257, 2008

Palabras clave: Phylogeography Cytochrome b *Gymnogeophagus gymnogenys* Species complex

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Evolución

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: Netherlands

ISSN: 03781909

E-ISSN: 15735133

DOI: [10.1007/s10641-008-9329-7](https://doi.org/10.1007/s10641-008-9329-7)

<http://www.springerlink.com/content/8577062h18572706>

The neotropical cichlid genus *Gymnogeophagus* is distributed in the Río de la Plata basin and in Dos Patos and Merín coastal lagoons on the border between Uruguay and southern Brazil. A phylogeographic approach based on mitochondrial cytochrome b analysis was performed to assess the patterns and processes of differentiation in this taxon. *Gymnogeophagus gymnogenys* showed high haplotype diversity ($H = 0.992$) and corrected mtDNA genetic distances ranged from 0 to 5.3%. Our analyses yielded robust support for the existence of four monophyletic groups within *G. gymnogenys* from the analyzed basins. No correlation between the aforementioned clades and geographic structure was found, since individuals belonging to different phylogenetic clades inhabit the same locality. The phylogeographic approach presented here showed that these four phylogroups (1, 2, 3 and 4) were sister groups. Our present findings would corroborate that *G. gymnogenys* could be integrated by different phylogenetic lineages, showing an explosive differentiation pattern and confirming the hypothesis that this taxon constitutes a species complex.

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

NO ARBITRADOS

Targeted Long-Read Bisulfite Sequencing for Promoter Methylation Analysis in Severe Preterm Birth (Completo, 2024)

PEREYRA, S., Sardina, A, Neumann, R, May, C., SAPIRO, R., B. BERTONI, CAPPETTA M

bioRxiv, 2024

Palabras clave: preterm birth epigenetics nanopore

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la

Información y Bioinformática /

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la

identificación de ADN, proteínas y enzimas /

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 26928205

DOI: [10.1101/2024.03.04.583424](https://doi.org/10.1101/2024.03.04.583424)

<https://doi.org/10.1101/2024.03.04.583424>

LIBROS

Preterm Birth - Mother and Child (Participación , 2012) Trabajo relevante

REY, G. , PEREYRA, S. , VELÁZQUEZ, T. , GRASSO, D. , ALONSO, J. , BERTONI, B. , SAPIRO, R.
Publicado

Editor/Compilador: J. C. Morrison (Editor)

Editorial: Intech , Rijeka, Croatia

Palabras clave: TLR4 Parto prematuro

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

Medio de divulgación: Papel

ISSN/ISBN: 9789533078281

<http://www.intechopen.com/articles/show/title/the-effect-of-inflammation-on-preterm-birth>

Capítulos:

The Effect of Inflammation on Preterm Birth

Página inicial 183, Página final 200

PUBLICACIÓN DE TRABAJOS PRESENTADOS EN EVENTOS

Diversidad y distribución de ancestría a lo largo del genoma de la población uruguaya (2024)

PEREYRA, S. , CAPPETTA M , B. BERTONI , CAROLINA BONILLA

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: XIX Congreso Latinoamericano de Genética

Ciudad: Guadalajara, México

Año del evento: 2024

Anales/Proceedings: Journal of Basic and Applied Genetics

Volumen:35

Fascículo: 2

Publicación arbitrada

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas /

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / Epidemiología genética

Medio de divulgación: Internet

https://sag.org.ar/jbag/project_category/2024/

The role of RHC variants of MC1R gene as MetQTLs: a family study (2024)

B. BERTONI , PEREYRA, S. , CAPPETTA M , CAROLINA BONILLA

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: 2024 PanAmerican Society for Pigment Cell Research (PASPCR) Annual meeting

Ciudad: New York, USA

Año del evento: 2024

Publicación arbitrada

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas /

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / Epidemiología genética

Medio de divulgación: Internet

Descripción de variantes de número de copias en cáncer de mama esporádico en el Uruguay (2024)

BRIGNONI L. , CAPPETTA M , PEREYRA, S. , ARTAGAVEYTIA N. , B. BERTONI

Publicado

Resumen
Evento: Internacional
Descripción: XIX Congreso Latinoamericano de Genética
Ciudad: Guadalajara, México
Año del evento: 2024
Anales/Proceedings: Journal of Basic and Applied Genetics
Volumen: 35
Fascículo: 2
Publicación arbitrada
Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /
Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la
identificación de ADN, proteínas y enzimas /
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / Epidemiología genética
Medio de divulgación: Internet
https://sag.org.ar/jbag/project_category/2024/

Aproximaciones genómicas, epigenómicas y transcriptómicas al estudio de enfermedades complejas humanas (2023)

PEREYRA, S., COLISTRO V., BRIGNONI L., Pereira, M., CAPETTA M., BERTONI
Publicado
Resumen
Evento: Nacional
Descripción: 1er Simposio de Biología Computacional y Bioinformática del Uruguay
Ciudad: Montevideo, Uruguay
Año del evento: 2023
Publicación arbitrada
Palabras clave: bioinformática genómica humana
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la
Información y Bioinformática /
Medio de divulgación: Internet

Análisis de metilación de promotores de genes candidatos en parto prematuro severo. (2022)

PEREYRA, S., Sardina, A., Neumann, R., May, C., BERTONI, SAPIRO, R., CAPETTA M
Publicado
Resumen
Evento: Nacional
Descripción: III Congreso Nacional de Biociencias
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2022
Anales/Proceedings: Physiological Mini Reviews
Volumen: 15
ISSN/ISBN: 1669-5410
Publicación arbitrada
Palabras clave: Epigenética Parto prematuro Metilación de ADN
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Epigenética
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /
Medio de divulgación: Internet

Búsqueda de marcadores epigenéticos con valor pronóstico en leucemia mieloblástica aguda. (2022)

CAPETTA M., PEREYRA, S., DELLOCA N., Salvarrey F., Neumann, R., May, C., ELIZONDO M.V.,
MANRIQUE ARECHAVALTA G., Pérez, V., BERTONI, ZUBILLAGA, MN
Publicado
Resumen
Evento: Nacional
Descripción: III Congreso Nacional de Biociencias
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2022
Publicación arbitrada
Palabras clave: Leucemia mieloblástica aguda LAM epigenética cáncer
Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / epigenética

Medio de divulgación: Internet

Búsqueda de marcadores epigenéticos con valor pronóstico en pacientes con Leucemia mieloblástica aguda en Uruguay (2021)

Salvarrey F , PEREYRA, S. , DELLOCA RUNCO Nicolás , Neumann R , May, C. , ZUBILLAGA, MN , B. BERTONI , CAPPETTA M

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: XVIII Congreso Latinoamericano de Genética

Ciudad: Valdivia, Chile (Virtual)

Año del evento: 2021

Anales/Proceedings: Journal of Basic and Applied Genetics

Volumen: 32

Fascículo: 1

Serie: (suppl)

ISSN/ISBN: 1852-6233

Publicación arbitrada

Palabras clave: epigenética Leucemia promotores génicos secuenciación nanopore metilación

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / Epigenómica

Medio de divulgación: Internet

DOI: [10.35407/bag.2021.32.01.suppl](https://doi.org/10.35407/bag.2021.32.01.suppl)

Análisis de metilación de promotores de genes candidatos en parto prematuro severo (2021)

Sardina, A , Neumann, R. , May, C. , SAPIRO, R. , B. BERTONI , CAPPETTA M , PEREYRA, S.

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: XVIII Congreso Latinoamericano de Genética

Ciudad: Valdivia, Chile (Virtual)

Año del evento: 2021

Anales/Proceedings: Journal of Basic and Applied Science

Volumen: 32

Fascículo: 1

Serie: (suppl)

ISSN/ISBN: 1852-6233

Publicación arbitrada

Palabras clave: Epigenética parto prematuro prematuridad metilación secuenciación nanopore

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / Epigenómica

Medio de divulgación: Internet

DOI: [10.35407/bag.2021.32.01.suppl](https://doi.org/10.35407/bag.2021.32.01.suppl)

Promoter methylation analysis in candidate genes of severe preterm birth (2021) Trabajo relevante

PEREYRA, S. , Sardina, A , Neumann, R. , May, C. , B. BERTONI , SAPIRO, R. , CAPPETTA M

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: American Society of Human Genetics Meeting 2021

Ciudad: San Francisco, EEUU (Virtual)

Año del evento: 2021

Anales/Proceedings: Abstracts of American Society of Human Genetics Meeting 2021

Publicación arbitrada

Palabras clave: epigenética prematuridad parto prematuro parto pretérmino metilación nanopore secuenciación

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / Epigenómica

Medio de divulgación: Internet

Searching for epigenetic markers with prognostic value in Acute Myeloblastic Leukemia patients of Uruguay (2021)

CAPPETTA M , PEREYRA, S. , DELLOCA N , Salvarrey F , Neumann, R. , May, C. , ELIZONDO M.V , MANRIQUE ARECHAVALETA G , Perez, V , B. BERTONI , ZUBILLAGA, MN

Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: American Society of Human Genetics Meeting 2021
Ciudad: San Francisco, EEUU (Virtual)
Año del evento: 2021
Anales/Proceedings: Abstracts of American Society of Human Genetics Meeting 2021
Publicación arbitrada
Palabras clave: leucemia epigenética metilación secuenciación nanopore ADN
Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana / Epigenómica
Medio de divulgación: Internet

Promoter methylation analysis in candidate genes of complex human diseases (2020)

PEREYRA, S., Neumann, R., May, C., Salvarrey F., Sardina, A., N DELLOCA, ZUBILLAGA, MN, SAPIRO, R., B. BERTONI, CAPPETTA M

Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: Nanopore Community Meeting 2020
Ciudad: London, Reino Unido
Año del evento: 2020
Publicación arbitrada
Palabras clave: epigenética metilación de ADN enfermedades complejas nanopore secuenciación dirigida parto prematuro leucemia
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Epigenética
Medio de divulgación: Internet

Identificación de variantes génicas candidatas a contribuir al parto pretérmino (2019)

PEREYRA, S., B. BERTONI, SAPIRO, R.

Publicado
Resumen
Evento: Nacional
Descripción: II Congreso Nacional de Biociencias
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2019
Anales/Proceedings: Resúmenes del II Congreso Nacional de Biociencias
Publicación arbitrada
Palabras clave: parto prematuro genómica
Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /
Medio de divulgación: CD-Rom
Financiación/Cooperación:
Comisión Central de Dedicación Total / Apoyo financiero, Uruguay

Análisis de metilación de promotores en genes candidatos de enfermedades complejas (2019)

PEREYRA, S., NEUMANN R., MAY C., N DELLOCA, ZUBILLAGA, MN, SAPIRO, R., B. BERTONI, CAPPETTA M

Publicado
Resumen
Evento: Nacional
Descripción: II Congreso Nacional de Biociencias
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2019
Anales/Proceedings: Resúmenes del II Congreso Nacional de Biociencias
Publicación arbitrada
Palabras clave: epigenética metilación secuenciación promotores génicos
Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /
Medio de divulgación: CD-Rom
Financiación/Cooperación:
Comisión Central de Dedicación Total / Apoyo financiero, Uruguay

Transcriptome of fetal membranes reveals pathways involved in preterm birth. (2018)

PEREYRA, S. , B. BERTONI , SAPIRO, R.

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: 2018 International Congress of Genetics

Ciudad: Foz do Iguazu

Año del evento: 2018

Anales/Proceedings:2018 International Congress of Genetics

Publicación arbitrada

Palabras clave: transcriptoma parto prematuro genómica

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

Medio de divulgación: CD-Rom

Financiación/Cooperación:

Comisión Central de Dedicación Total / Apoyo financiero, Uruguay

Este trabajo recibió el PREMIO NEWTON FREIRE-MAIA por mejor trabajo en Genética Humana.

Exploring MC1R genome structure as Melanoma risk factor in an admixed population (2018)

I. Mimbacas , COLISTRO V. , HOCHMANN J , PEREYRA, S. , CAPPETTA M , B. BERTONI

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: 2018 International Congress of Genetics

Ciudad: Foz do Iguazu

Año del evento: 2018

Anales/Proceedings:2018 International Congress of Genetics

Publicación arbitrada

Palabras clave: melanoma genómica SNPs

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

Medio de divulgación: CD-Rom

Financiación/Cooperación:

Comisión Sectorial de Investigación Científica / Apoyo financiero, Uruguay

Detección de expresión génica diferencial en membranas fetales en parto prematuro severo (2016)

PEREYRA, S. , BERTONI, B. , SAPIRO, R.

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: XVI Congreso Latinoamericano de Genética

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2016

Anales/Proceedings:Journal of Basic and Applied Genetics

Fascículo: 1

ISSN/ISBN: 18526233

Publicación arbitrada

Ciudad: Buenos Aires

Palabras clave: Parto prematuro secuenciado masivo Expresión diferencial

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Medio de divulgación: Papel

http://www.alag2016.org/admin/files/alag2016/upload/files/V.XXVIII_2016_Suppl1_19092016.pdf

Análisis de polimorfismos de genes de la vía del receptor tipo Toll4 con significancia funcional en el Síndrome de Ovario Poliquístico (2014)

FORD, MARIANA , PEREYRA, S. , MAS DE AYALA, J. , CHAQUIRIAND, V. , CLOSE, M.L. , SAPIRO, R.

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: XV Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias

Ciudad: Piriápolis

Año del evento: 2014
Anales/Proceedings: Resúmenes de las XV Jornadas de la SUB
Palabras clave: SNP Asociación genética PCOS
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Reproductiva /
Medio de divulgación: CD-Rom

Diagnóstico de Enterovirus por PCR en tiempo real y tipificación mediante secuenciación de regiones VP-1 y 5' UTR (2013)

IFRÁN, S., PEREYRA, S., S. BOSCHI, ZUBILLAGA, M.N., M. CAPPETTA, R. URIARTE, RECAREY, R., CRISTINA, J., COLINA, R.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: I Congreso Latinoamericano de Virología
Ciudad: Bogotá
Año del evento: 2013
Anales/Proceedings: Resúmenes del I Congreso Latinoamericano de Virología
Palabras clave: Diagnóstico molecular Enterovirus
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /
Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología /
Medio de divulgación: CD-Rom

Detección molecular de Bordetella pertussis y Bordetella parapertussis en muestras clínicas (2013)

PEREYRA, S., PÉREZ, V., S. BOSCHI, IFRÁN, S., M. CAPPETTA, R. URIARTE
Publicado
Resumen
Evento: Nacional
Descripción: X Encuentro Nacional de Microbiólogos
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2013
Anales/Proceedings: Libro de resúmenes
Editorial: DIRAC
Ciudad: Montevideo
Palabras clave: Diagnóstico molecular Bordetella
Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas /
Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Biotecnología relacionada con la Salud /
Medio de divulgación: Papel

Diagnóstico de Enterovirus por PCR en tiempo real y tipificación mediante secuenciación de regiones VP-1 y 5' UTR (2013)

IFRÁN, S., PEREYRA, S., S. BOSCHI, ZUBILLAGA, M.N., M. CAPPETTA, R. URIARTE, RECAREY, R., CRISTINA, J., COLINA, R.
Publicado
Resumen
Evento: Regional
Descripción: X Encuentro Nacional de Microbiólogos
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2013
Anales/Proceedings: Libro de resúmenes
Editorial: DIRAC
Ciudad: Montevideo
Palabras clave: Diagnóstico molecular Enterovirus
Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Biotecnología relacionada con la Salud /
Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología /

Medio de divulgación: Papel

TLR4 genetic variations in uruguayan women with Polycystic Ovary Syndrome (PCOS) (2013)

PEREYRA, S. , SAPIRO, R. , MAS DE AYALA, J. , CHÁVEZ, R.

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: OVARIAN CLUB III

Ciudad: Paris

Año del evento: 2013

Anales/Proceedings:OVARIAN CLUB III abstracts

Palabras clave: SNP Asociación genética PCOS

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Medio de divulgación: Internet

<http://comtecmed.com/oc/2013/Uploads/Editor/PDF/Ch%C3%A1vez-Genaro.pdf>

Estudio de asociación génica de SNPs en una vía inflamatoria con el parto pretérmino (2012)

PEREYRA, S. , DIAZ, A. , AROCENA, E. , CARDOZO, P. , BORBONET, D. , MAS DE AYALA, J. , ALONSO, J. , BERTONI, B. , SAPIRO, R.

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: XIV JORNADAS DE LA Sociedad Uruguaya de Biociencias

Ciudad: Piriápolis

Año del evento: 2012

Anales/Proceedings:Resúmenes de las XIV JORNADAS DE LA Sociedad Uruguaya de Biociencias

Palabras clave: SNP Parto prematuro

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Medio de divulgación: Papel

Optimización de una RT-PCR para la caracterización molecular del Virus de Influenza A H3N2 circulante en Uruguay durante la temporada invernal 2011 (2012)

SOÑORA, M. , COMAS, V. , MORATORIO, G. , GOÑI, N. , M. CAPPETTA, R. URIARTE, S. BOSCHI, PEREYRA, S. , CRISTINA, J. , MORENO, P.

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: XIV JORNADAS DE LA Sociedad Uruguaya de Biociencias

Ciudad: Piriápolis

Año del evento: 2012

Anales/Proceedings:Resúmenes de las XIV JORNADAS DE LA Sociedad Uruguaya de Biociencias

Palabras clave: Influenza A virus emergentes

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología /

Medio de divulgación: Papel

Polimorfismos de genes asociados a la respuesta inflamatoria en mujeres con patologías reproductivas (2012)

MAS DE AYALA, J. , PEREYRA, S. , ANESETTI, G. , ALCIATURI, J. , CANTÚ, L. , TOROSIÁN, L. , CHÁVEZ, R. , SAPIRO, R.

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: XIV JORNADAS DE LA Sociedad Uruguaya de Biociencias

Ciudad: Piriápolis

Año del evento: 2012

Anales/Proceedings:Resúmenes de las XIV JORNADAS DE LA Sociedad Uruguaya de Biociencias

Palabras clave: Asociación genética PCOS inflamación

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /
Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la
identificación de ADN, proteínas y enzimas /
Medio de divulgación: Papel

Análisis de SNPs por PCR en tiempo real multiplex (2011)

PEREYRA, S. , GRASSO, D. , VELÁZQUEZ, T. , REY, G. , ALONSO, J. , BERTONI, B. , SAPIRO, R.

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: Segundas Jornadas de Genética del Uruguay

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2011

Anales/Proceedings: Resúmenes de las II Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Genética

Palabras clave: PCR real time SNP Parto prematuro

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la
identificación de ADN, proteínas y enzimas /

Medio de divulgación: CD-Rom

Role of inflammation in preterm birth (2011)

REY, G. , PEREYRA, S. , VELÁZQUEZ, T. , GRASSO, D. , BERTONI, B. , SAPIRO, R.

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: 10th World Congress of Perinatal Medicine

Ciudad: Punta del Este

Año del evento: 2011

Anales/Proceedings: Journal of Perinatal Medicine. Abstracts 10th WCPM

Volumen: 39

ISSN/ISBN: 0936-174x

Editorial: De Gruyter

Ciudad: Berlín

Palabras clave: Parto prematuro inflamación

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la
identificación de ADN, proteínas y enzimas /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Medio de divulgación: Internet

Incidencia del polimorfismo Asp299Gly del receptor TLR 4 en infertilidad femenina. (2010)

MAS DE AYALA, J. , ANESETTI, G. , ALCIATURI, J. , CANTÚ, L. , SKOWRONEK, F. , PEREYRA, S. ,
CHÁVEZ, R. , SAPIRO, R.

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: XIII Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias

Ciudad: Piriápolis

Año del evento: 2010

Palabras clave: TLR4 Síndrome de Ovario Poliquístico PCR real time

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Biotecnología relacionada con la Salud /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Reproductiva /

Medio de divulgación: Internet

<http://www.pasteur.edu.uy/sub>

Estudios recientes sugieren que la interacción entre los sistemas inmune y reproductivo tiene importantes consecuencias para la reproducción y la salud en general. Algunas de estas interacciones podrían involucrar a la familia de mediadores considerados clásicamente como inflamatorios entre los que se encuentran los receptores toll (TLRs). La presencia de integrantes de la familia de TLRs ha sido descrita en el ovario de diversas especies, incluyendo al humano a nivel de las células de la teca y la granulosa. TLRs usualmente se encuentran en células inmunes profesionales y reconocen moléculas patógenas (endotoxinas). Algunos polimorfismos genéticos de

esta familia de receptores podrían explicar diferentes susceptibilidades a las enfermedades entre los individuos de una población o entre diferentes poblaciones. Los resultados de su asociación con enfermedades reproductivas en estudios de poblaciones caucásicas son inconsistentes y prácticamente desconocidos en poblaciones sudamericanas. En este trabajo estudiamos a) la incidencia de polimorfismos de TLR 4 (Asp299Gly) en pacientes que consultaron por problemas de infertilidad con respecto a un grupo de mujeres sanas y b) la capacidad de las células granuloso-luteínicas en cultivo para secretar interleukinas. Se cultivaron células de la granulosa obtenidas por aspiración de folículo ovárico de aquellas pacientes que fueron sometidas a Fertilización in vitro (FIV) para el tratamiento de su infertilidad o de donantes de ovocitos. En el medio de cultivo se midió la presencia de interleukinas. De las células remanentes se extrajo ADN. En un grupo de mujeres que no fue sometido a FIV, el ADN se obtuvo a partir de mucosa yugal. La presencia del polimorfismo fue determinada por PCR, seguida de restricción enzimática RFLP (Restriction Fragment Length Polymorphisms). El protocolo experimental fue aprobado por el Comité de Ética de la Facultad de Medicina. En todos los casos se obtuvo el consentimiento escrito. Las mujeres estudiadas se ubicaron en un grupo etario de 25 a 45 años (n=100). Las patologías reproductivas estudiadas incluyeron: poliquistosis ovárica, endometriosis e hiperinsulinismo. Se comprobó la presencia de interleukina 1b y 6 en el medio a las 48 hrs de realizado el cultivo celular. Aproximadamente el 10% de las mujeres de ambos grupos (sanas o con patología) presentó incidencia del polimorfismo. No se detectaron diferencias significativas de asociación para ninguno de los grupos estudiados en particular. Consideramos que el tamaño de la población estudiada es bajo y que se requiere mayor número de casos en cada una de las patologías estudiadas. Además se podrá analizar si existen diferencias en el patrón de secreción de interleukinas de acuerdo a la patología de las pacientes.

Diseño de una PCR en tiempo real dúplex para detectar polimorfismos en el parto prematuro. (2010)

PEREYRA, S. , VELÁZQUEZ, T. , GRASSO, D. , REY, G. , ALONSO, J. , BERTONI, B. , SAPIRO, R.

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: XIII Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias

Ciudad: Piriápolis

Año del evento: 2010

Palabras clave: PCR real time SNP Parto prematuro

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas /

Medio de divulgación: Internet

<http://www.pasteur.edu.uy/sub>

El parto pretérmino (PPT), definido como aquel que se produce antes de las 37 semanas de edad gestacional, es la mayor causa de morbilidad y mortalidad perinatal a nivel mundial. En Sudamérica, más del 10% de los recién nacidos son prematuros, y la incidencia es entre 8% y 10% en Uruguay. Existen numerosos factores ambientales asociados al parto prematuro (infecciones maternas, bajo nivel socioeconómico). A su vez, existen diferencias étnicas y predisposición en algunas familias que permiten postular la presencia de factores genéticos que predisponen al PPT. Recientemente se ha encontrado asociación entre la incidencia de parto prematuro y varios polimorfismos de nucleótido simple (SNP), principalmente en genes relacionados con mecanismos de inflamación y coagulación. Previamente utilizando PCR-RFLP (Restriction Fragment Length Polymorphism), nuestro grupo detectó una asociación entre la presencia de la variante Asp299Gly del Receptor de tipo Toll 4 (TLR4) y la prematuridad severa (<33 semanas). Por otro lado, la técnica de PCR a tiempo real, seguida de un análisis de desnaturalización simple y de alta resolución (HRM), puede identificar cambios hasta en un único nucleótido. En este estudio se diseñó un experimento de PCR en tiempo real para amplificar dos SNPs simultáneamente: TLR4 (rs4986790) y IL-1 β (rs16944). Se analizaron muestras de cordón umbilical y de sangre de recién nacidos prematuros y a término obtenidas del Centro Hospitalario Pereira Rossell. Se realizó la técnica PCR en Tiempo Real con el kit de PCR Type-it® HRMTM (QIAGEN) y las lecturas se realizaron en el Rotor-Gene 6000 (QIAGEN). Se analizaron 100 muestras lográndose obtener simultáneamente los dos amplicones. La etapa crítica fue el ajuste de las concentraciones de oligonucleótidos utilizadas para cada SNP. Los perfiles obtenidos por el análisis HRM permitieron asignar genotipos para cada muestra, siendo esta asignación consistente con la determinada por métodos alternativos (PCR-RFLP y secuenciación, para TLR4 e IL-1 β respectivamente). El análisis de HRM permitiría desarrollar proyectos de mediana escala ya que se optimizan los tiempos de análisis, el uso de las muestras y se reducen los costos. La técnica mostró tener una alta sensibilidad y reproducibilidad, logrando así que la misma sea robusta para genotipar de manera simultánea estos dos marcadores genéticos.

Tecnologías genómicas optimizando la caracterización genética del pejerrey (*Odontesthes spp.*) para su cultivo en emprendimientos productivos de Uruguay (2010)

GARCÍA, G., PEREYRA, S., RIOS, N., OVIEDO, S., ROVERE, G., LEMA, P.

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: 3er. Congreso Uruguayo de Producción Animal

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2010

Anales/Proceedings:Agrociencia

Volumen:14

Fascículo: 3

Página inicial: 224

Página final: 224

Publicación arbitrada

Editorial: Facultad de Agronomía

Ciudad: Montevideo

Palabras clave: sistemática Acuicultura *Odontesthes* sp.

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Marina, Limnología /

Medio de divulgación: Papel

Procesos de diferenciación en *Gymnogeophagus* cf. *gymnogenys* en base a secuencias de ADN mitocondrial (2010)

RIOS, N., PEREYRA, S., GARCÍA, G.

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: X Jornadas de Zoología del Uruguay

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2010

Anales/Proceedings:Resúmenes de las X Jornadas de Zoología del Uruguay

Palabras clave: ADN mitocondrial Diferenciación genética

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Medio de divulgación: Papel

<http://cuz.fcien.edu.uy/>

Polimorfismos genéticos asociados a Síndrome de Ovario Poliquístico (2010)

MAS DE AYALA, J., ANESETTI, G., PEREYRA, S., VELÁZQUEZ, T., BERTONI, B., ALCIATURI, J., CANTÚ, L., CHÁVEZ, R., SAPIRO, R.

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: 1er. Congreso Latinoamericano de Endocrinología Ginecológica

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2010

Anales/Proceedings:Resúmenes del 1er Congreso Latinoamericano de Endocrinología Ginecológica

Publicación arbitrada

Palabras clave: Síndrome de Ovario Poliquístico infertilidad SNP

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Reproductiva /

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

Medio de divulgación: Papel

Low diversity and genetic structure of the narrownose shark (*Mustelus schmitti*) (2009)

PEREYRA, S., OVIEDO, S., GARCÍA, G.

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: 150 years of Darwins Evolutionary theory: a South American Celebration
Ciudad: Punta del Este

Año del evento: 2009

Anales/Proceedings: 150 years of Darwins Evolutionary theory: a South American Celebration. Abstracts.

Publicación arbitrada

Palabras clave: ADN mitocondrial *Mustelus schmitti* Estructura genética de poblaciones

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Medio de divulgación: Internet

<http://darwin200.edu.uy/files/Abstracts.pdf>

The narrownose smooth-hound shark, *Mustelus schmitti* (Elasmobranchii, Triakidae) is a coastal species, endemic to the Southwest Atlantic Ocean. This species is an important commercial and recreational resource all over its geographic distribution, captured by industrial trawling fleet in coastal and offshore waters. Due to intensive fishing its abundance has decreased notoriously in the last decade and thus it is currently characterized as endangered. In this study, we used mitochondrial cytochrome b gene sequences to examine the genetic structure of the narrownose smooth-hound populations within the Uruguayan Atlantic coast. Our goals were to determine the extent of mtDNA differentiation for *M. schmitti* in the study area and to assess the genetic structure and stock differentiation in the Río de la Plata and Maritime Front. A total of 99 individuals from bycatch and strandings in commercial cruisers and artisanal fisheries from Uruguay were sequenced. An additional cytochrome b sequence from Mar del Plata was included. Nucleotide and haplotype diversity were notably low ($\pi = 0.0015$; $h = 0.226$). Both Tajimas D (-2.33; $p < 0.01$) and F_{ST} (-13.28; $p < 0.01$) showed negative and significant values. AMOVA analyses showed no genetic structure in Uruguayan samples. Pairwise indirect estimates of gene flow among Uruguayan samples revealed a greater value than one migrant per generation while gene flow between the former ones and Mar del Plata locality revealed genetic isolation. The low nucleotide and haplotype diversity found in this species are indicative of a severe population bottleneck. Minimum spanning network was characterized by a star-like pattern with haplotypes radiating out from one central and more frequent haplotype, which is a typical signature of a past recent population expansion. This conclusion is supported by negative and significant neutrality test statistics and significant mismatch statistics. Alternatively, this scenario may also be caused by selection. Our results indicate that *Mustelus schmitti* comprises a single demographic unit in the Río de la Plata and its Maritime front. Low genetic diversity found should be considered for the development of management plans for this species, as it may compromise its evolutionary potential.

Estructura genética del angelito (*Squatina* sp.) en el Río de la Plata y su Frente Marítimo (2009)

GARCÍA, G., PEREYRA, S., OVIEDO, S., MILLER, P., DOMINGO, A.

Publicado

Resumen expandido

Evento: Internacional

Descripción: VII Simposio de Recursos Genéticos para América Latina y el Caribe

Ciudad: Pucon, Chile

Año del evento: 2009

Anales/Proceedings: Resúmenes del VII Simposio de Recursos Genéticos para América Latina y el Caribe

Palabras clave: sistemática ADN mitocondrial *Squatina* sp.

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Marina, Limnología / Pesquerías

Medio de divulgación: Papel

En el Atlántico Sud-Occidental el género *Squatina* está representado por tres especies de difícil discriminación: *S. argentina*, *S. occulta* y *S. guggenheim*. El presente trabajo se propone identificar mediante secuencias de citocromo b mitocondrial la presencia de estas especies y sus posibles stocks en el Río de la Plata y su Frente Marítimo. Los análisis filogenéticos revelan la existencia de un solo taxón *S. guggenheim* en las muestras estudiadas. Los análisis poblacionales muestran la presencia de un único stock en esta especie. El valor bajo de diversidad haplotípica y relativamente alto de diversidad nucleotídica sugiere la existencia de cuello de botella en una población ancestral en un pasado más o menos reciente.

Macro and micro geographic scale structuring in a marine-estuarine fish from Southwestern Atlantic Ocean. (2009)

OVIEDO, S., PEREYRA, S., GARCÍA, G.

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: 150 years of Darwins Evolutionary theory: a South American Celebration

Ciudad: Punta del Este

Año del evento: 2009

Anales/Proceedings: 150 years of Darwins Evolutionary theory: a South American Celebration. Abstracts.

Publicación arbitrada

Palabras clave: *Odontesthes* Cytochrome c oxidase subunit I systematics Genetic diversity

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Marina, Limnología /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Medio de divulgación: Internet

<http://darwin200.edu.uy/files/Abstracts.pdf>

Odontesthes is a diverse and widespread genus of silversides distributed in marine coastal waters and temperate freshwater drainages of South America. It is characterized by an overall uniformity in morphology and similar life history strategies displaying also a high environmental plasticity. Despite being an important fishery and aquaculture resource in Uruguay our knowledge about its systematic and genetic structure is poor. In this preliminary work, phylogenetic analyses based on mitochondrial cytochrome c oxidase subunit I (COI) showed that all samples from the Río de la Plata and coastal lagoons clustered into a single well-supported monophyletic clade with *O. argentinensis* sequences retrieved from GenBank. Under Phylogenetic and Biological Species Concepts *Odontesthes* spp. analyzed in this study represent a single management stock. The basal polytomy detected in phylogenetic trees, negative and significant value of Tajima's test and star-like haplotype network, could suggest that *O. argentinensis* suffered a past recent demographic expansion process. AMOVA and pairwise *F_{st}* analyses reveal no genetic structure at microgeographic scale including different ontogenetic stages in Rocha Lagoon. Same results were evident at macrogeographic scale including Río de la Plata and remaining collecting sites. High values of haplotype and nucleotide diversity found for COI were similar to those reported previously for mtDNA D-Loop control region in *O. argentinensis* populations, validating the efficacy of COI marker for this type of approaches.

Identificación de stock y caracterización del angelito (*Squatina* sp.) en el Río de la Plata y su frente marítimo (2008)

GARCÍA, G., PEREYRA, S., OVIEDO, S., GUTIERREZ, V., VERGARA, J.

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: Primeras Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Genética

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2008

Anales/Proceedings: Resúmenes

ISSN/ISBN: --

Editorial: --

Ciudad: --

Palabras clave: Genética de poblaciones Elasmobranchios ecología molecular

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Conservación de la Biodiversidad /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

Medio de divulgación: CD-Rom

Caracterización genética de *Mustelus* sp. capturados por las pesquerías uruguayas (2008)

PEREYRA, S., OVIEDO, S., GUTIERREZ, V., VERGARA, J., GARCÍA, G.

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: Primeras Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Genética

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2008

Anales/Proceedings: Resúmenes

ISSN/ISBN: --

Editorial: --

Ciudad: --

Palabras clave: Conservación Elasmobranquios ecología molecular

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Sistemática

Medio de divulgación: CD-Rom

Pattern of genetic differentiation in the Neotropical cichlid genus *Gymnogeophagus* in South American basins (2006)

PEREYRA, S. , GARCÍA, G.

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: I International Congress of Fish Genetics

Ciudad: Sao Carlos, SP. Brasil.

Año del evento: 2006

Anales/Proceedings: Abstracts

Página inicial: 256

Página final: 256

ISSN/ISBN: --

Editorial: --

Ciudad: --

Palabras clave: Cichlidae Genética de poblaciones Especiación

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución /

Biodiversidad

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Sistemática

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

Medio de divulgación: CD-Rom

Identificación y relaciones filogenéticas preliminares en especies de condrictios del Río de la Plata y su Frente Marítimo (2006)

PEREYRA, S. , VERGARA, J. , GARCÍA, G.

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: V Reunião da Sociedade Brasileira para o Estudo de Elasmobranquios

Ciudad: Itajaí, SC. Brasil.

Año del evento: 2006

Anales/Proceedings: Livro de Resumos

Página inicial: 71

Página final: 72

ISSN/ISBN: --

Editorial: --

Ciudad: --

Palabras clave: Elasmobranquios sistemática ecología molecular

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Sistemática

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Conservación de la Biodiversidad /

Medio de divulgación: Papel

¿Una nueva especie de *Gymnogeophagus* en Uruguay? (2005)

PEREYRA, S. , GARCÍA, G.

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: VIII Jornadas de Zoología del Uruguay

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2005

Anales/Proceedings: Actas de las VIII Jornadas de Zoología del Uruguay

Volumen: 1

Fascículo: 1

Serie: 1

Página inicial: 90
Página final: 90
ISSN/ISBN: 0255-4402
Editorial: Mim. Pesce SRL
Ciudad: Montevideo
Palabras clave: Cichlidae Genética de poblaciones Especiación
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Biodiversidad
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Sistemática
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones
Medio de divulgación: Papel

Diferenciación genética en poblaciones de *Gymnogeophagus gymnogenys* (Pisces, Cichlidae) de Uruguay (2005)

PEREYRA, S. , GARCÍA, G.
Publicado
Resumen
Evento: Nacional
Descripción: XI Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias
Ciudad: Minas
Año del evento: 2005
Anales/Proceedings: Actas de Fisiología
Volumen: 10
Página inicial: 188
Página final: 188
ISSN/ISBN: 0074-31-186-1
Editorial: Oficina del Libro FEFMUR
Ciudad: Montevideo
Palabras clave: Genética de poblaciones Especiación
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Biodiversidad
Medio de divulgación: Papel

Registros y problemáticas de las tortugas marinas en el área marino-costera de la Laguna de Rocha (2004)

FALLABRINO, A. , ESTRADES, A. , MILLER, P. , LÓPEZ-MENDILAHARSU, M. , PEREYRA, S. , FEIJOO, M.
Publicado
Resumen
Evento: Local
Descripción: Taller: Avances científico-técnicos para el manejo de Área protegida Laguna de Rocha
Ciudad: Montevideo
Año del evento: 2004
Anales/Proceedings: Libro de Resúmenes
Página inicial: 8
Página final: 9
Palabras clave: Conservación Tortugas marinas
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Conservación de la Biodiversidad / Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ecología /
Medio de divulgación: Papel

Producción técnica

TRABAJOS TÉCNICOS

Relevamiento de los Recursos Genéticos animales para el Uruguay (2006)

Informe o Pericia técnica
GARCÍA, G. , PEREYRA, S.
Proyecto Fortalecimiento del Proceso de Implementación del Sistema Nacional de Áreas

Protegidas de Uruguay (DINAMA/PNUD/GEF URU/05/001)

País: Uruguay

Idioma: Español

Ciudad: Montevideo

Disponibilidad: Restrita

Número de páginas: 15

Duración: 3 meses

Institución financiadora: Sistema Nacional de Areas Protegidas de Uruguay (DINAMA/PNUD/GEF URU/05/001)

Palabras clave: Conservación Recursos genéticos animales

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Conservación de la Biodiversidad /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Biodiversidad

Medio de divulgación: CD-Rom

OTRAS PRODUCCIONES

CURSOS DE CORTA DURACIÓN DICTADOS

Herramientas para el análisis de secuencias genómicas (2019)

PEREYRA, S. , TORT, J F , CAPPETTA M , N DELLOCA

Perfeccionamiento

País: Uruguay

Idioma: Español

Tipo de participación: Docente

Duración: 4 semanas

Ciudad: Montevideo

Institución Promotora/Financiadora: Facultad de Medicina, Udelar

Palabras clave: Genómica Análisis de datos

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

Información adicional: Curso optativo para estudiantes de la carrera de Doctor en Medicina, Udelar.

DESARROLLO DE MATERIAL DIDÁCTICO O DE INSTRUCCIÓN

Clases teóricas para la Unidad Curricular BCM del ciclo CBCC1 de la carrera Doctor en Medicina (2021)

PEREYRA, S.

País: Uruguay

Idioma: Español

Medio divulgación: Internet

Web: <https://www.youtube.com/c/demfmed>

16 Clases Teóricas para la Unidad Curricular ?Biología celular y molecular? del Ciclo Básico Clínico Comunitario 1 (Doctor en Medicina)

Palabras clave: genetica biologia molecular ADN acidos nucleicos

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

Creación y actualización de Discusiones grupales de la Unidad Curricular 'Biología celular y molecular' del Ciclo Básico Clínico Comunitario 1 (Doctor en Medicina). (2021)

PEREYRA, S.

País: Uruguay

Idioma: Español

Medio divulgación: Internet

Web: www.eva.fmed.edu.uy

Creación y actualización de repartidos de ejercicios para las Discusiones grupales de la Unidad Curricular ?Biología celular y molecular? del Ciclo Básico Clínico Comunitario 1 (Doctor en Medicina).

Palabras clave: genetica biologia molecular

Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

Clase de apoyo para ciclo ESFUNO de las Escuelas de Tecnología Médica (2021)

PEREYRA, S.

País: Uruguay
Idioma: Español
Medio divulgación: Internet
Web: <https://www.youtube.com/c/demfmed>
Clase de apoyo para ciclo ESFUNO de las Escuelas de Tecnología Médica, sobre métodos de Diagnóstico Molecular de SARS-CoV2
Palabras clave: coronavirus diagnostico molecular pcr covid19 sars-cov2
Áreas de conocimiento:
Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana /

Python para ecología (2019)

PEREYRA, S., 49 autores mas

País: Estados Unidos
Idioma: Español
Medio divulgación: Internet
Web: <https://datacarpentry.org/python-ecology-lesson-es/>;
<https://doi.org/10.5281/zenodo.2536379>
Material didáctico de uso libre para los cursos y talleres dictados por Software Carpentry.
Disponible bajo la licencia Creative Commons Attribution.
Palabras clave: python ecología software carpentry
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Otras Ciencias Naturales / Otras Ciencias Naturales / Informática
Información adicional: DOI: 10.5281/zenodo.2536379 Lección en
<https://datacarpentry.org/python-ecology-lesson-es/>

Una introducción a R utilizando los datos de Gapminder. (2018)

PEREYRA, S., 49 autores mas

País: Estados Unidos
Idioma: Español
Medio divulgación: Internet
Web: <https://swcarpentry.github.io/r-novice-gapminder-es/>;
<https://doi.org/10.5281/zenodo.1251333>
Material didáctico de uso libre para los cursos y talleres dictados por Software Carpentry.
Disponible bajo la licencia Creative Commons Attribution.
Palabras clave: github control de versiones bioinformática software carpentry
Áreas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Otras Ciencias Naturales / Otras Ciencias Naturales / Informática
Información adicional: Editores: Rayna Harris; Verónica Jiménez; Silvana Pereyra; Heladia Salgado
Autores: Rayna M Harris; Paula Andrea Martínez; Laura-Gómez; Silvana Pereyra; Hely Salgado;
raynamharris; Alejandra Gonzalez-Beltrán; Shirley Alquicira Hernández; Juan M. Barrios;
Guillermina Actis; Ivan Ogasawara; Kevin Alquicira; Leticia Vega; Ana Beatriz Villaseñor
Altamirano; Juli Arancio; Kevin Martínez-Folgar; Laura Angelone; Marcela Alfaro Córdoba;
Marceline Abadeer; María Florencia D'Andrea; Romualdo Zayas-Lagunas; OXGC; A. S.; Cynthia
Monastirsky; David Pérez-Suárez; EuniceML; Guillermo Movia; Ivonne Lujano; Matías Andina;
Paola Prieto; saynomoregrl; Veronica Jimenez; François Michonneau; Naupaka Zimmerman; David
Mawdsley; Jeff Oliver; Raniere Silva; Erin Becker; Katrin Leinweber; Marie-Hélène Burle; Gordon
McDonald; Ido Bar; Jamie McDevitt-Irwin; Jonah Duckles; Tobin Magle; Antonio; AntonioJBT;
Belinda Weaver; Claudia Engel; Daniel Beiter; James J Balamuta; Marieke Frassl; Murray Cadzow;
Narayanan Raghupathy; Richard Barnes; Richard McCosh; Sandra Brosda; Sasha Lavrentovich

La terminal de Unix (2018)

PEREYRA, S., 49 autores mas

País: Estados Unidos
Idioma: Español
Medio divulgación: Internet

Web: <http://doi.org/10.5281/zenodo.1198732>

Material didáctico de uso libre para los cursos y talleres dictados por Software Carpentry.

Disponible bajo la licencia Creative Commons Attribution.

Palabras clave: UNIX bioinformática github software carpentry

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Otras Ciencias Naturales / Otras Ciencias Naturales / Informática

Información adicional: Autores: Paula Andrea Martínez; Dani Ledezma; Juan M. Barrios;

LauCIFASIS; Matías Andina; Alejandra González-Beltrán; Otoniel Maya; Francisco Palm; Nohemi

Huancá Núñez; Olemis Lang; AnaBVA; Kevin Alquicira; Rayna M Harris; Shirley Alquicira; Silvana

Pereyra; Verónica Jiménez-Jacinto; Ashwin Srinath; Gabriel A. Devenyi; Gerard Capes; Colin

Morris; csqrs; Erin Becker; Anja Le Blanc; Stéphane Guillou; Jake Cowper Szamosi; Marisa Lim;

Steve Leak; Kunal Marwaha; Martha Robinson; Yee Mey; Gordon Rhea; Thomas Mellan; Adam

Huffman; Brian Ballsun-Stanton; Dave Bridges; François Michonneau; Giuseppe Profiti; Jared

Flater; Jonah Duckles; Katrin Leinweber; Kelly L. Rowland; Michael Zingale; Nicolas Barral; Raniere

Silva; sjnair; William L. Close; Andrew Sanchez; Jeff Oliver Editor(s) Heladia Saldaño

Una introducción a Git (2018)

PEREYRA, S. , 49 autores más

País: Estados Unidos

Idioma: Español

Medio divulgación: Internet

Web: <http://doi.org/10.5281/zenodo.1197332>

Material didáctico de uso libre para los cursos y talleres dictados por Software Carpentry.

Disponible bajo la licencia Creative Commons Attribution.

Palabras clave: git UNIX software carpentry

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Otras Ciencias Naturales / Otras Ciencias Naturales / Informática

Información adicional: Paula Andrea Martínez; Verónica Jiménez; Hely Salgado; LauCIFASIS; Javier

Forment; Francisco Palm; Silvana Pereyra; Dani Ledezma; Romualdo Zayas-Lagunas; Alejandra

González-Beltrán; Kevin Alquicira; Nelly Sélem; Olemis Lang; Rayna M Harris; Kevin MF; Leticia

Vega; Matías Andina; Nohemi Huancá Núñez; Shirley Alquicira; Ivan González; Katrin Leinweber;

Amy Olex; K.E. Kozlar; Lex Nederbragt; Nima Hejazi; Bradford Condon; Casey Youngflesh; Daisie

Huang; Garrett Bachant; James E McClure; Jimmy O'Donnell; Jonah Duckles; Kurt Glaesemann; P.

L. Lim; Saskia Hiltemann; Belinda Weaver; butterflyskip; dounia; Heather Nunn; Ian Lee; Katherine

Kozlar; Mark Woodbridge; Matt Critchlow; Mingsheng Zhang; Peace Ossom Williamson; Sarah

Stevens; Tom Morrell; Valentina Bonetti; Verónica Ikeshoji-Orlati Editor(s) Rayna M Harris

PROGRAMAS EN RADIO O TV

"Dosis de Ciencia" (2021)

PEREYRA, S.

Entrevista

País: Uruguay

Idioma: Español

Web: <https://www.uniradio.edu.uy/2021/03/comunidad-udelar-viernes-19-de-marzo-centro-de-recreacion-y-cuid>

Emisora: UNI Radio 107.7 FM

Fecha de la presentación: 19/03/2021

Tema: Bases genéticas del parto prematuro

Duración: 1 minutos

Palabras clave: parto prematuro investigación

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

Información adicional: Entrevista en el Ciclo Radial de Divulgación Científica de la Facultad de

Medicina ¿Dosis de Ciencia?, en UNI Radio 107.7 FM.

Doctor en casa (2014)

PEREYRA, S. , MR URIARTE

Entrevista

País: Uruguay

Idioma: Español

Emisora: Canal 4, televisión abierta

Fecha de la presentación: 27/04/2014

Tema: Métodos de diagnóstico molecular para la detección del virus del Dengue, en el marco del proyecto de investigación ANII-Asociación Española

Duración: 1 minutos

Ciudad: Montevideo

Palabras clave: Dengue Detección molecular Biología molecular Genética

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia /

ORGANIZACIÓN DE EVENTOS

Feria de ciencias "Medicina Investiga" 2022, 2023, 2024 (2022)

PEREYRA, S.

Otro

Sub Tipo: Otra

Lugar: Uruguay, Facultad de Medicina, UdelaR Montevideo

Idioma: Español

Medio divulgación: Internet

Web: <https://youtu.be/8Gh8qCx9jzc>

Duración: 1 semanas

Institución Promotora/Financiadora: Comisión Divulgación Científica de Facultad de Medicina

Información adicional: Feria de Ciencias de la Facultad de Medicina, organizada por la Comisión de Divulgación en Investigación Científica de la Facultad de Medicina, Universidad de la República

Evaluaciones

EVALUACIÓN DE PUBLICACIONES

REVISIONES

PLOS One (2025)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

ISSN: 1932-6203

Frontiers in Cell and Developmental Biology, section Embryonic Development (2024)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

ISSN: 2296-634X.

BAG, Journal of Basic and Applied Genetics (2023)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

BMC Pregnancy and Childbirth (2022)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

2 artículos revisados entre febrero y abril de 2022.

Pediatric Research (2020)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

3 artículos revisados entre marzo y mayo 2020.

Archives of Medical Research (2016)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

Journal of Clinical Laboratory Analysis (2015)

Tipo de publicación: Revista

Cantidad: Menos de 5

African Journal of Biotechnology (2013)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

BioSystems (2012)

Tipo de publicación: Revista
Cantidad: Menos de 5

EVALUACIÓN DE EVENTOS Y CONGRESOS

III Congreso Uruguayo de Biociencias (2022)

Revisiones
Uruguay

Evaluación de trabajos científicos presentados en modalidad de posters en el III Congreso Uruguayo de Biociencias, para otorgar premios a los más destacados.

III Congreso Uruguayo de Biociencias (2022)

Comité programa congreso
Uruguay
Arbitrado

Sociedad Uruguaya de Genética
Integrante del comité científico de evaluación de trabajos científicos presentados del area Genética en el III Congreso Uruguayo de Biociencias.

II Congreso Uruguayo de Biociencias. (2019)

Revisiones
Uruguay

Sociedad Uruguaya de Biociencias, Sociedad Uruguaya de Genética
Evaluación de trabajos científicos presentados en modalidad de posters.

EVALUACIÓN DE CONVOCATORIAS CONCURSABLES

Llamado a asistencia a Cursos en el exterior para estudiantes de PEDECIBA (2009 / 2009)

Uruguay
Cantidad: Menos de 5
PEDECIBA, UdelAR

Llamado a asistencia a Pasantías locales y en el exterior para estudiantes de PEDECIBA (2009 / 2009)

Uruguay
Cantidad: Menos de 5
PEDECIBA, UdelAR

Llamado a asistencia a Congresos internacionales para estudiantes de PEDECIBA (2009 / 2009)

Uruguay
Cantidad: Menos de 5
PEDECIBA, UdelAR

JURADO DE TESIS

Licenciatura en Bioquímica (2018)

Jurado de mesa de evaluación de tesis
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias , Uruguay

Formación de RRHH

TUTORÍAS CONCLUIDAS

GRADO

Análisis de promotores de genes candidatos en Leucemia Mieloblástica Aguda (2020 - 2023)

Tesis/Monografía de grado
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Medicina /
Departamento de Genética , Uruguay
Programa: Licenciatura en Bioquímica (Fac. Ciencias, Udelar)
Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad (PEREYRA, S. , CAPPETTA M)
Nombre del orientado: Florencia Salvarrey
País: Uruguay
Palabras Clave: Leucemia Mieloblástica Aguda epigenética genómica
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Análisis de promotores de genes candidatos en parto prematuro espontáneo (2019 - 2023)

Tesis/Monografía de grado
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Medicina /
Departamento de Genética , Uruguay
Programa: Licenciatura en Biología Humana
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Ángela Sardina
País: Uruguay
Palabras Clave: parto prematuro epigenética genómica
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Procesos de diferenciación en *Gymnogeophagus cf. gymnogenys* en base a secuencias de ADN mitocondrial

Tesis/Monografía de grado
Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias / Sección
Genética Evolutiva , Uruguay
Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad
Nombre del orientado: Nestor Rios
País: Uruguay
Palabras Clave: Genética de poblaciones sistemática *Gymnogeophagus* sp.
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

TUTORÍAS EN MARCHA

POSGRADO

Caracterización del transcriptoma vinculado a la restricción crónica y aguda de sueño en ratas madres y su progenie (2024)

Tesis de maestría
Sector Educación Superior/Público / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Área Biología
(PEDECIBA) , Uruguay
Programa: Maestría en Biología
Tipo de orientación: Cotutor en pie de igualdad (PEREYRA, S. , LUCIANA BENEDETTO)
Nombre del orientado: Agustín Rodríguez
País/Idioma: Uruguay,
Palabras Clave: restricción de sueño cuidado maternal stress posparto
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ciencias Biológicas / Fisiología reproductiva
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Otros datos relevantes

PREMIOS, HONORES Y TÍTULOS

Premio mejor poster en Area Genética Humana (2021)

(Internacional)
Asociacion Latinoamericana de Genética
Premio a mejor trabajo del área Genética Humana presentado como comunicación libre en el XVIII

Congreso Latinoamericano de Genética, por el trabajo 'Análisis de metilación de promotores de genes candidatos en parto prematuro severo', autores A. Sardina, R. Neumann, C. May, R. Sapiro, B. Bertoni, M. Cappetta, S. Pereyra. 5-8 de Octubre de 2021.

Highly commended poster Award (2020)

(Internacional)

Oxford Nanopore

Highly commended poster Award por poster presentado en Nanopore Community Meeting 2020, por el trabajo 'Promoter methylation analysis in candidate genes of complex human diseases?', autores S. Pereyra, R. Neumann, C. May, F. Salvarrey, A. Sardina, N. Dell'Oca, M. Zubillaga, R. Sapiro, B. Bertoni, M. Cappetta. Premio al segundo trabajo científico más votado por los participantes del Nanopore Community 2020.

Newton Freire-Maia Award (2018)

(Internacional)

Brazilian Genetics Society (SBG)

Premio por mejor trabajo en área "Human Genetics" presentado en el 2018 International Congress of Genetics, entre el 10 y 14 de setiembre. El trabajo premiado fue "Transcriptome of fetal membranes reveals pathways involved in preterm birth" por los autores Silvana Pereyra, Bernardo Bertoni y Rossana Sapiro.

Beca de finalización de Doctorado (2017)

(Nacional)

Comisión Académica de Postgrados, UdelAR

Seleccionada entre los postulantes para otorgarse una beca de apoyo para finalización de doctorado. No asumida por haber asumido régimen de Dedicación Total en UdelAR.

Premio Prof. Miguel Margulies (2011)

(Internacional)

Fundación Miguel Margulies

Premio otorgado por la Fundación Profesor Miguel Margulies (Argentina) otorgado al mejor trabajo presentado al concurso realizado durante el 10mo Congreso Mundial de Medicina Perinatal (internacional). El premio reconoce el trabajo "Role of inflammation in preterm birth" presentado en el congreso. El trabajo fue publicado por Clínicas Perinatológicas Argentinas en setiembre de 2011.

Mención en la "Semana académica 2011 del Hospital de Clínicas" (2011)

(Nacional)

Hospital de Clínicas

Mención en la "Semana académica 2011 del Hospital de Clínicas" al trabajo presentado en forma de poster: "Asociaciones Genético-Inflamatorias en el Síndrome de Ovario Poliquístico", por Mas de Ayala J, Pereyra S, Anesetti G, Alciaturi J, Cantú L, Torosian L, Close ML, Chávez R, Sapiro R.

Beca de Maestría (2007)

(Nacional)

PEDECIBA - ANII

Beca-crédito de postgrado (2007)

(Nacional)

Proyecto de Desarrollo Tecnológico (PDT). MEC.

Beca obtenida por méritos para financiar la realización de la estadía de investigación en la University of Nebraska-Lincoln, en el marco de la realización de mi tesis de la Maestría en Ciencias Biológicas.

Premio Dámaso Antonio Larrañaga a la mejor presentación de estudiantes. Mención por la presentación del trabajo 'Una nueva especie de Gymnogeophagus en Uruguay?' (2005)

(Nacional)

Sociedad Zoológica del Uruguay

PRESENTACIONES EN EVENTOS

III Congreso Nacional de Biociencias (2022)

Congreso

Presentación oral en mesa redonda de Avances en Biología de la reproducción - Impactos en salud y enfermedad.

Uruguay

Tipo de participación: Panelista

Carga horaria: 2

Nombre de la institución promotora: Sociedad Uruguaya de Biociencias Palabras Clave: biología de la reproducción parto prematuro genética humana

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana

Nanopore Community Meeting 2020 (2020)

Congreso

Promoter methylation analysis in candidate genes of complex human diseases

Reino Unido

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 20

Nombre de la institución promotora: Oxford Nanopore Palabras Clave: nanopore secuenciación masiva epigenética

International Congress of Genetics (2018)

Congreso

Exploring MC1R genome structure as Melanoma risk factor in an admixed population

Brasil

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 40

Nombre de la institución promotora: International Genetics Federation (IGF) Palabras Clave:

Genética Evolución Genómica Transcriptómica

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

International Congress of Genetics (2018)

Congreso

Transcriptome of fetal membranes reveals pathways involved in preterm birth

Brasil

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 40

Nombre de la institución promotora: International Genetics Federation (IGF) Palabras Clave:

Genética Transcriptómica Genómica

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

XVI Congreso Latinoamericano de Genética (2016)

Congreso

Detección de expresión génica diferencial en membranas fetales en parto prematuro severo

Uruguay

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 40 Palabras Clave: Parto prematuro secuenciado masivo Expresión diferencial

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

XV Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias (2014)

Congreso

Análisis de polimorfismos de genes de la vía del receptor tipo Toll4 con significancia funcional en el Síndrome de Ovario Poliquístico

Uruguay

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 60

Nombre de la institución promotora: Sociedad Uruguaya de Biociencias Palabras Clave: Síndrome de Ovario Poliquístico Asociación genética SNPs

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

I Congreso Latinoamericano de Virología (2013)

Congreso

Diagnóstico de Enterovirus por PCR en tiempo real y tipificación mediante secuenciación de regiones VP-1 y 5 UTR

Colombia

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 30

Nombre de la institución promotora: Pontificia Universidad Javeriana Bogotá Palabras Clave:

Diagnóstico molecular Enterovirus

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología

Paciente Oncológico en medicina intensiva. Encuentro entre Intensivistas y Oncólogos. (2013)

Encuentro

Aporte de la biología molecular al diagnóstico de infecciones microbianas y virales

Uruguay

Tipo de participación: Expositor oral

Carga horaria: 10

Nombre de la institución promotora: Asociación Española. Palabras Clave: diagnóstico clínico biología molecular

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

X Encuentro Nacional de Microbiólogos (2013)

Encuentro

Diagnóstico de Enterovirus por PCR en tiempo real y tipificación mediante secuenciación de regiones VP-1 y 5 UTR

Uruguay

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 8

Nombre de la institución promotora: Sociedad Uruguaya de Microbiología Palabras Clave:

Diagnóstico molecular Enterovirus

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Biotecnología relacionada con la Salud

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología

X Encuentro Nacional de Microbiólogos (2013)

Encuentro

Detección molecular de Bordetella pertussis y Bordetella parapertussis en muestras clínicas

Uruguay

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 8

Nombre de la institución promotora: Sociedad Uruguaya de Microbiología Palabras Clave:

Diagnóstico molecular Bordetella

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Biotecnología relacionada con la Salud

XIV JORNADAS DE LA Sociedad Uruguaya de Biociencias (2012)

Congreso

Optimización de RT-PCR para la caracterización molecular del virus de influenza circulante en Uruguay durante la temporada invernal 2011

Uruguay

Tipo de participación: Poster

Nombre de la institución promotora: Sociedad Uruguaya de Biociencias Palabras Clave: Influenza A virosis emergentes

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Virología

XIV JORNADAS DE LA Sociedad Uruguaya de Biociencias (2012)

Congreso

Polimorfismos de genes asociados a la respuesta inflamatoria en mujeres con patologías reproductivas

Uruguay

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 10

Nombre de la institución promotora: Sociedad Uruguaya de Biociencias Palabras Clave: SNP PCOS inflamación

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

XIV JORNADAS DE LA Sociedad Uruguaya de Biociencias (2012)

Congreso

Estudio de asociación génica de SNPs en una vía inflamatoria con el parto pretérmino

Uruguay

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 10

Nombre de la institución promotora: Sociedad Uruguaya de Biociencias Palabras Clave: SNP Parto prematuro inflamación

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Semana Académica del Hospital de Clínicas (2011)

Encuentro

Asociaciones genético-inflamatorias en el Síndrome de Ovario Poliquístico

Uruguay

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 10

Nombre de la institución promotora: Hospital de Clínicas Palabras Clave: Síndrome de Ovario Poliquístico SNP Asociación genética

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Reproductiva

Segundas Jornadas de Genética del Uruguay (2011)

Congreso

Análisis de SNPs por PCR en tiempo real multiplex

Uruguay

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 20

Nombre de la institución promotora: Sociedad Uruguaya de Genética Palabras Clave: PCR real time SNP Parto prematuro

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Tecnologías que involucran la identificación de ADN, proteínas y enzimas

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

XIII Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias (2010)

Congreso

Incidencia del polimorfismo Asp299Gly del receptor TLR 4 en infertilidad femenina.

Uruguay

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 30

Nombre de la institución promotora: Sociedad Uruguaya de Biociencias Palabras Clave: infertilidad SNP Genética humana

Areas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Reproductiva

XIII Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias (2010)

Congreso

Diseño de una PCR en tiempo real dúplex para detectar polimorfismos en el parto prematuro

Uruguay

Tipo de participación: Expositor oral

Carga horaria: 30

Nombre de la institución promotora: Sociedad Uruguaya de Biociencias Palabras Clave: PCR real time SNP Parto prematuro

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Biotecnología de la Salud / Biotecnología relacionada con la Salud

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana

III Congreso de la Asociación Uruguaya de Producción Animal (2010)

Congreso

Tecnologías genómicas optimizando la caracterización genética del pejerrey (*Odontesthes spp.*) para su cultivo en emprendimientos productivos de Uruguay

Uruguay

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 10

Nombre de la institución promotora: Asociación Uruguaya de Producción Animal (AUPA) de Uruguay; Facultad de Agronomía, Facultad de Veterinaria, Facultad de Ciencias, Instituto Nacional de Investigación Agropecuaria Palabras Clave: Genética de poblaciones Recursos genéticos animales sistemática

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

X Jornadas de Zoología del Uruguay (2010)

Congreso

Procesos de diferenciación en *Gymnogeophagus cf. gymnogonys* en base a secuencias de ADN mitocondrial

Uruguay

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 10

Nombre de la institución promotora: Sociedad Zoológica del Uruguay Palabras Clave: Evolución Diferenciación genética

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

1er. Congreso Latinoamericano de Endocrinología Ginecológica (2010)

Congreso

Polimorfismos genéticos asociados a Síndrome de Ovario Poliquístico

Uruguay

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 30 Palabras Clave: Síndrome de Ovario Poliquístico infertilidad SNP

Áreas de conocimiento:

Ciencias Médicas y de la Salud / Medicina Básica / Genética Humana

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Reproductiva

150 years of Darwin's Evolutionary Theory: A South American celebration. (2009)

Simposio

Macro and micro geographic scale structuring in a marine-estuarine fish from Southwestern Atlantic Ocean

Uruguay

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 30 Palabras Clave: Genética de poblaciones *Odontesthes sp.*

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Marina, Limnología

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

150 years of Darwin's Evolutionary Theory: A South American celebration. (2009)

Simposio

Low diversity and genetic structure of the narrownose shark (*Mustelus schmitti*)
Uruguay
Tipo de participación: Poster
Carga horaria: 30 Palabras Clave: ADN mitocondrial *Mustelus schmitti* Estructura genética de poblaciones
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología Marina, Limnología
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

VII Simposio de Recursos Genéticos para América Latina y el Caribe (2009)

Simposio
Estructura genética del angelito (*Squatina* sp.) en el Río de la Plata y su Frente Marítimo.
Chile
Tipo de participación: Poster
Nombre de la institución promotora: INIA Chile Palabras Clave: sistemática *Squatina* sp.
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

Primeras Jornadas de Genética del Uruguay (2008)

Congreso
Caracterización genética de *Mustelus* sp. capturados por las pesquerías uruguayas
Uruguay
Tipo de participación: Poster
Carga horaria: 30
Nombre de la institución promotora: Sociedad Uruguaya de Genética Palabras Clave: Conservación Elasmobranchios ecología molecular
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Sistemática

Primeras Jornadas de Genética del Uruguay (2008)

Congreso
Identificación de stock y caracterización del angelito (*Squatina* sp.) en el Río de la Plata y su frente marítimo
Uruguay
Tipo de participación: Poster
Carga horaria: 30
Nombre de la institución promotora: Sociedad Uruguaya de Genética Palabras Clave: Genética de poblaciones Elasmobranchios ecología molecular
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Conservación de la Biodiversidad
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

V Reuniao da sociedade brasileira para o estudo de elasmobranchios (2006)

Congreso
Identificación y relaciones filogenéticas preliminares en especies de condrictios del Río de la Plata y su Frente Marítimo
Brasil
Tipo de participación: Poster
Carga horaria: 30
Nombre de la institución promotora: Universidade do vale do Itajai Palabras Clave: Elasmobranchios sistemática ecología molecular
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Sistemática
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Conservación de la Biodiversidad

I International Congress of Fish Genetics (2006)

Congreso
Pattern of genetic differentiation in the Neotropical cichlid genus *Gymnogeophagus* in South American basins
Brasil

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 30

Nombre de la institución promotora: Universidade Federal de Sao Carlos Palabras Clave: Cichlidae

Genética de poblaciones Especiación

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Biodiversidad

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Sistemática

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Genética de Poblaciones

XI Jornadas de la Sociedad Uruguaya de Biociencias (2005)

Congreso

Diferenciación genética en poblaciones de *Gymnogeophagus gymnogenys* (Pisces, Cichlidae) de Uruguay

Uruguay

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 30

Nombre de la institución promotora: Sociedad Uruguaya de Biociencias Palabras Clave: Genética de poblaciones Especiación

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Biología y Biología de la Evolución / Biodiversidad

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Genética de Poblaciones

VIII Jornadas de Zoología del Uruguay (2005)

Congreso

¿Una nueva especie de *Gymnogeophagus* en Uruguay?

Uruguay

Tipo de participación: Expositor oral

Carga horaria: 1

Nombre de la institución promotora: Sociedad Zoológica del Uruguay Palabras Clave: Genética de poblaciones Especiación

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Sistemática

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia / Filogeografía

Avances científico-técnicos para el manejo del área protegida Laguna Rocha (2004)

Taller

Registros y problemáticas de las tortugas marinas en el área marino-costera de la Laguna de Rocha Uruguay

Tipo de participación: Poster

Carga horaria: 20

Nombre de la institución promotora: Facultad de Ciencias - Udelar Palabras Clave: Conservación Tortugas marinas

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Conservación de la Biodiversidad

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Ecología

JURADO/INTEGRANTE DE COMISIONES EVALUADORAS DE TRABAJOS ACADÉMICOS

Efecto de la acumulacion de AGEs en la membrana basal sobre los acinos prostáticos glandulares (2018)

Candidato: Claudia Chiale

Tipo Jurado: Pregrado

PEREYRA, S.

Licenciatura en Bioquímica / Sector Educación Superior/Público / Universidad de la República / Facultad de Ciencias / Uruguay

Sitio Web: <https://www.colibri.udelar.edu.uy/jspui/handle/20.500.12008/19140>

País: Uruguay

Idioma: Español

Palabras Clave: NEOPLASMAS MALIGNOS PCR FENOTIPO CÁNCER DE PROSTATA GLÁNDULA PROSTÁTICA

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Biológicas / Genética y Herencia

CONSTRUCCIÓN INSTITUCIONAL

Desde la consolidación de mi línea de investigación en el parto prematuro humano en la Facultad de Medicina, he promovido colaboraciones académicas con el área clínica. Así, busco reforzar la integración clínico-básica, en un tema de relevancia nacional y con herramientas de punta. Formo parte de la Comisión Directiva de la Sociedad Uruguaya de Genética (período 2019-2024). Participo del cogobierno de la Facultad de Medicina como integrante de la Comisión Divulgación Científica desde 2020, en la cual promovemos y difundimos las tareas de investigación que se realizan en nuestra Facultad.

Información adicional

Miembro de la Sociedad Uruguaya de Genética (2008 - presente). Miembro de la Sociedad Uruguaya de Biociencias (2006 - presente). Miembro de la American Genetic Association (2008 - 2009).

Becas de viaje y/o manutención ganadas: 2023: Beca de viaje, inscripción y alojamiento al Curso Single Cell Genomics (Wellcome Connecting Science GT). 2022: Beca de inscripción al III Congreso Nacional de Biociencias. ADUR Facultad de Medicina. 2021: Financiación de CSIC MIA de inscripción a American Society of Human Genetics Meeting 2021 (Virtual). 2018: Financiación CSIC MIA de inscripción y viáticos, para asistencia a International Congress of Genetics. Foz do Iguazu, Brasil. 2016: Beca de postgrado para realizar estudios de Doctorado. CAP, UdelaR. No asumida para asumir Dedicación Total en UdelaR. 2014: Beca de inscripción y manutención. NGS Summer Course Analyzing Next-Generation Sequencing Data (EEUU). 2010 Beca de inscripción y manutención. Darwin 200 Symposia y I Escuela latinoamericana de Evolución, Darwin 200 Symposia y I Escuela latinoamericana de Evolución 2009 Beca de viaje y manutención para la asistencia al Curso Internacional: Genética de la Conservación, Red Genética de la Conservación (ReGeneC) 2008 Beca de manutención para la asistencia al Curso Internacional: 'EMBO Practical Courses: Advanced Course on Bioinformatics and Comparative Genome Analysis', European Molecular Biology Organization 2007 Beca de viaje y manutención para la asistencia al Curso Internacional: Spatial Genetics, distribution patterns of genetic variation, American Genetic Association (EEUU).